

# ایجاد مقاومت به ویروس Y سیب زمینی PVY با استفاده از سازه سنجاق سری حاوی ژن پروتئین پوششی

## Induction of Resistance to Potato Virus Y (PVY) Using Hairpin Construct of Coat Protein

حسن رهنما<sup>۱\*</sup>، مرضیه قنبری جهرمی<sup>۲</sup>، امیر موسوی<sup>۳</sup>، سعید سهیلی‌وند<sup>۱</sup>، رضا پوررحیم<sup>۴</sup>

Hassan Rahnama<sup>1\*</sup>, Marzie Ghanbari<sup>2</sup>, Amir Mousavi<sup>3</sup>, Saeed Soheilvand<sup>1</sup>, Reza Pourrahim<sup>4</sup>

- ۱- پژوهشگاه بیوتکنولوژی کشاورزی ایران، سازمان تحقیقات آموزش و ترویج کشاورزی، کرج، ایران
- ۲- دانش آموخته دکتری علوم باغبانی، دانشگاه آزاد اسلامی واحد علوم و تحقیقات تهران
- ۳- پژوهشکده بیوتکنولوژی کشاورزی، پژوهشگاه ملی مهندسی ژنتیک و زیست فن‌آوری، تهران
- ۴- موسسه تحقیقات گیاهپزشکی کشور، سازمان تحقیقات آموزش و ترویج کشاورزی، تهران

- 1-Agricultural Biotechnology Research Institute of Iran (ABRII), Agricultural Research Education and Extension Organization (AREEO), Karaj, Iran  
2-PhD student, Science and Research Branch, Islamic Azad University, Tehran, Iran  
3-National Institute of Genetic Engineering and Biotechnology, Tehran, Iran  
4-Iranian Research Institute of Plant Protection, Agricultural Research Education and Extension Organization (AREEO), Iran

\* نویسنده مسئول مکاتبات، پست الکترونیکی: hrahnama@abrii.ac.ir

(تاریخ دریافت: ۹۹/۲/۲۳ - تاریخ پذیرش: ۹۹/۵/۲۰)

### چکیده

#### واژه‌های کلیدی

پروتئین پوششی،  
خاموشی ژن،  
سیب‌زمینی،  
مقاومت به ویروس،  
PVY  
RNAi

یکی از بیماری‌های مهمی که سالانه خسارت‌های اقتصادی بسیاری به کشاورزان کشور وارد می‌کند و باعث افت عملکرد و کیفیت محصول می‌شود، ویروس Y سیب‌زمینی (PVY) است. امروزه استفاده از سازوکارهای ایجاد مقاومت ناشی از پاتوژن افق‌های جدیدی در راستای تولید گیاهان تراریخت مقاوم به ویروس گشوده است. در این پژوهش از روش خاموشی ژن برای ایجاد مقاومت بر علیه PVY استفاده شده است. برای این منظور از یک سازه ژنی RNAi برگرفته از بخش پروتئین پوششی (CP) ژنوم PVY استفاده شد. سازه با استفاده از اگروباکتريوم به ریزنمونه‌های میانگرمه و برگ گیاه سیب‌زمینی انتقال داده شد. درصد نوساقه‌های تولید شده در محیط انتخابی حاوی علف‌کش فسفینوتریسن پس از رشد و تکثیر مورد ارزیابی قرار گرفت. تراریختی بوته‌ها و بررسی بیان ژن در گیاهان تراریخته با استفاده از آزمون زنجیره‌ای پلیمرز (PCR) و RT-PCR بررسی شد. بر اساس نتایج ۴۲ درصد گیاهان باززا شده تراریخته بودند. بیان ژن CP نیز در اغلب لاین‌ها به اثبات رسید. به منظور تعیین مقاومت گیاهان تراریخته در برابر آلودگی PVY، آزمون زیست‌سنجی صورت گرفت. نتایج حاصله نشان داد که حدود ۸۲ درصد گیاهان سیب‌زمینی تراریخت نسبت به آلودگی PVY مقاوم هستند.

## مقدمه

سیب‌زمینی (*Solanum tuberosum* L.) به علت دارا بودن نشاسته، محتوای ویتامینی و پروتئینی زیاد و نیز عملکرد بالا به عنوان یکی از مهم‌ترین منابع غذایی در دنیا مطرح است. ایران با سطح زیرکشت ۱۵۳۰۰۰ هکتار، عملکرد ۳۰۳۹۲۲ کیلوگرم در هر هکتار و با تولید سالانه ۴۶۵۰۰۰۰ تن یکی از بزرگترین تولیدکنندگان سیب‌زمینی در دنیا به شمار می‌آید (FAOSTAT, 2013). یکی از بیماری‌های مهمی که سالانه خسارت شدیدی به محصول سیب‌زمینی وارد می‌کند بیماری ویروس Y سیب‌زمینی (PVY) است. میزان خسارت این بیماری بسته به رقم، سال و مکان بین ۱۰-۹۰٪ گزارش شده است (Valkonen, 2007). تنها راه حل این مشکل در کشور تولید یا واردات بذور سیب‌زمینی عاری از ویروس است که هزینه‌های سنگینی شامل هزینه نیروی متخصص، امکانات و فضای کشت بافتی، گلخانه‌ها یا مزارع بزرگ ایزوله و نیز آزمون‌های شناسایی بذور آلوده از سالم به همراه دارد. بنابراین، با توجه به عدم وجود منابع مقاومت در ارقام سیب‌زمینی، تلاش در جهت ایجاد ارقام مقاوم تراریخته می‌تواند بسیار سودبخش باشد. امروزه در دنیا از فن‌آوری‌های نوینی همانند خاموشی ژن با روش RNA مداخله‌گر (RNA interference: RNAi) جهت رفع مشکلاتی از این نوع استفاده می‌شود. در این روش با بهره‌گیری از سازوکار خاموشی پس از رونویسی (PTGS) با طراحی سازه ژنی دارای قطعات سنس و آنتی‌سنس مشابه با بخشی از ژنوم خود ویروس که پس از رونویسی حالت سنجاق‌سری به خود می‌گیرند، می‌توان ویروس را در سطح رونویسی خاموش و کنترل کرد (Gaba et al., 2010). در این راستا پژوهش‌های متعددی در رابطه با ایجاد مقاومت به ویروس انجام شده است. پوررحیم و همکاران (۱۳۸۴) با بکارگیری آغازگرهای اختصاصی، ژن پروتئین پوششی سویه نکروتیک ویروس Y سیب‌زمینی را همسانه سازی کردند و با استفاده از پیشبر CaMV 35S، به کمک حامل ژنی pBin19 و استفاده از *Agrobacterium tumefaciens*، به گیاهان توتون انتقال دادند. آزمون رونوشت برداری برگردان (RT-PCR)، وجود

رونوشت RNA از تراژن را در لاین‌های تراریخت تأیید کرد. نیازی و همکاران (۱۳۸۴) با بهره‌گیری از روش‌های مختلف خاموشی ژن در جهت ایجاد مقاومت به ویروس زرد نکروتیک رگبرگ چغندر قند (BNYVV) با استفاده از ژن رمزکننده پروتئین پوششی (CP) ویروس موفق به ایجاد مقاومت در گیاهان حاصل شدند. همچنین استفاده از قطعات پروتئین پوششی ویروس X سیب زمینی (PVX) در سازه RNAi منجر به ایجاد مقاومت به ویروس PVX در ارقام تراریخت سیب‌زمینی شده است (فاطری رضوانی و همکاران، ۱۳۹۵).

میسو و همکاران (۲۰۰۴) با کاربرد dsRNA گرفته شده از بخش انتهایی 3' توالی ژن پروتئین پوششی (CP) ویروس PVY موفق به ایجاد مقاومت به PVY در رقم تجاری سیب‌زمینی 'Spunta' شدند (Missiou et al. 2004). گیاهان تراریخت حاصل مقاومت بالایی به سه نژاد PVY (PVY<sup>N</sup>، PVY<sup>O</sup> و PVY<sup>NTN</sup>) نشان دادند. گزارش‌های متعددی در زمینه ایجاد مقاومت به PVY با استفاده از روش‌های مهندسی ژنتیک و بویژه RNAi وجود دارد که موفق به ایجاد مقاومت به PVY در گیاهان شده‌اند (Smith et al. 2000, Valkama et al., 2000, Maki-Valkama et al. 2000, Gaba et al., 2010; Ganbari, Di Nicola-Negri et al. 2005, Jahromi et al., 2015). اخیراً، با بیان نواحی تلفیقی پروتئین‌های پوششی سه نوع ویروس PVY، PVX، PVS در ساختار RNAi محققان توانسته‌اند گیاهان سیب‌زمینی را در مقابل این سه نوع ویروس مقاوم نمایند (Hameed et al., 2017). همچنین با خاموش‌سازی فاکتورهای شروع ترجمه یوکاریوتی (eIF) در گیاهان سیب‌زمینی با استفاده از سازه‌های RNAi مقاومت گیاه سیب‌زمینی در مقابل ویروس PVY افزایش یافته است (Miroshnichenko et al., 2020).

با ابداع فن‌آوری‌های جدیدتر مانند ویرایش ژنی بویژه CRISPR/Cas9، امیدهای فراوانی برای ایجاد مقاومت به ویروس‌ها در گیاهان بوجود آمده است (Borrelli et al., 2018). به عنوان مثال، با طراحی sgRNA هایی که مناطق حفاظت شده ویروس (مانند P3, CI, Nib, CP) را هدف گیری می‌کنند، محققان توانسته‌اند با روش ویرایش ژنی لاین‌های سیب‌زمینی مقاوم به طیف وسیعی از ویروس‌ها را ایجاد نمایند (Zhang et al., 2019).

**تراریختی و باززایی:** همزمان با پیش‌کشت ریزنمونه‌ها، در روز دوم یک تک کلونی از اگروباکتریوم حاوی پلاسمید pCAMRNAiCP حامل ساختار سنجا ق سری CP و ژن *bar* در ۲۰ میلی‌لیتر محیط LB مایع حاوی آنتی‌بیوتیک‌های کانامایسین و ریغامپسین (از هر کدام ۵۰ میلی‌گرم در لیتر) در یک فالكون ۵۰ میلی‌لیتری به‌صورت شبانه کشت شد. کشت‌ها در دمای ۲۸ درجه سانتی‌گراد در شیکر ۲۰۰ دور در دقیقه تا زمانی که OD<sub>600</sub> باکتری به ۰/۶ تا ۰/۸ برسد، قرار گرفتند. سپس سوسپانسیون باکتری به مدت ۱۰ دقیقه در ۳۰۰۰ دور در دقیقه سانتریفیوژ گردید. روشن‌آور حذف شد و رسوب باکتری در مایه تلقیح (حاوی محیط MS بدون هورمون، سوکروز ۳ درصد، مانیتول ۲ درصد و ۱۰۰ میکرومولار استوسیرینگون) با pH ۵/۴ حل گردید. ریزنمونه‌ها از محیط القای کالوس به یک پتری‌دیش انتقال داده شد تا با باکتری آماده شده به مدت ۱۰ دقیقه تلقیح شوند. بعد از انجام تلقیح ریزنمونه‌ها دوباره به محیط القای کالوس به مدت دو روز با شرایط قبلی و سپس به محیط انتخاب و باززایی منتقل شدند.

به منظور انتقال ژن به سیب‌زمینی با کارایی بالا در کوتاه‌ترین زمان ممکن سه دستورالعمل پایه و رایج باززایی ( Beaujean *et al.*, 1998, 1998, Visser *et al.*, 2006 و Banerjee *et al.*) مورد مقایسه قرار گرفتند (جدول ۱). هورمون‌های گیاهی مورد ارزیابی شامل سیتوکینین‌های زآتین رایبوزاید (Z.R) و بنزیل آمینوپورین (BAP) در ترکیب با دیگر هورمون‌ها (GA3, 2,4-D و NAA) بودند (جدول ۲). پس از مقایسه آن‌ها مناسب‌ترین روش با اعمال تغییراتی با هدف انتقال ژن مورد استفاده قرار گرفت. تعداد برابری از هر دو ریزنمونه (۱۰۰ عدد) در سه محیط پایه و رایج باززایی سیب‌زمینی کشت شدند. پس از ظهور نوساقه‌های تراریخت احتمالی، طول دوره باززایی و تراریختی در هر تیمار ثبت و مورد ارزیابی قرار گرفت. داده‌های حاصل با استفاده از نرم‌افزار SPSS به کمک آزمون دانکن مورد تجزیه و تحلیل آماری قرار گرفتند. گیاهچه‌های باززا شده پس از جداسازی از ریزنمونه به محیط ریشه‌زایی منتقل شدند (جدول ۱). در نهایت پس از تکثیر، گیاهچه‌های ریشه‌دار شده به گلدان و گلخانه انتقال یافتند.

هدف از انجام پژوهش حاضر، بررسی امکان ایجاد مقاومت به PVY در گیاه سیب‌زمینی با استفاده از سازه خاموشی ژن (سنجا ق سری) طراحی شده از بخش ژن پروتئین پوششی ویروس Y سیب‌زمینی (PVY) است.

## مواد و روش‌ها

**مواد گیاهی و محیط کشت:** گیاهان درون‌شیشه‌ای سیب‌زمینی رقم مارفونا از پژوهشگاه بیوتکنولوژی کشاورزی ایران تهیه شد. کشت ریزنمونه‌های تک یا دو گرهی در محیط تکثیر حاوی محیط کشت پایه MS (Murashige and Skoog, 1962) به علاوه ۳ درصد ساکارز، pH ۵/۷، در شرایط دمایی ۲۲ درجه سانتی‌گراد و دوره نوری ۱۶ ساعت روشنایی (با شدت ۴۰۰۰ لوکس) و ۸ ساعت تاریکی تکثیر شدند. پس از گذشت ۳ الی ۴ هفته گیاهان مناسب جهت تهیه ریزنمونه مورد استفاده قرار گرفتند. قطعات ریزنمونه میانگرم به طول ۴ تا ۶ میلی‌متر و قطعات ریزنمونه برگ با ابعاد تقریبی ۵×۵ میلی‌متر پس از جداسازی به مدت سه روز در محیط القای کالوس پیش‌کشت شدند (جدول ۱). کشت‌ها در اتاقک رشد با دمای ۲۲-۲۴ درجه سانتی‌گراد و دوره نوری ۱۶ ساعت زیر نور لامپ‌های فلورسنت سفید (با شدت ۴۰۰۰ لوکس) نگهداری شدند.

**سویه اگروباکتریوم و ناقل پلاسمیدی:** در این پژوهش از سازه خاموشی ژن RNAi با هدف ایجاد مقاومت به PVY طراحی شده توسط سهیلی‌وند و همکاران (۱۳۸۹) استفاده شد. در این سازه بخشی از توالی کدکننده پروتئین پوششی PVY (CP) به طول ۳۲۰ جفت باز به صورت سنس و آنتی‌سنس در دو طرف یک قطعه ایترون (۳۸۹ جفت باز) در یک ناقل پلاسمیدی ویژه RNAi (pGSA1252) قرار داده شد. سپس قطعه مورد نظر با آنزیم *Pst*I هضم شده و در پلاسمید pCAMBIA3300 حاوی ژن نشانگر انتخابی *bar* همسان‌سازی شد. پلاسمید نوترکیب به اگروباکتریوم سویه AGL1 با روش انجماد و ذوب ( Sambrook and Russell, 2001) منتقل شد. این پلاسمید حاوی ژن *bar* کدکننده آنزیم فسفینوتریسین استیل ترانسفراز (PAT)، پیشبر و پایانبر ویروس موزاییک کلم (CaMV 35S) می‌باشد (شکل ۱).

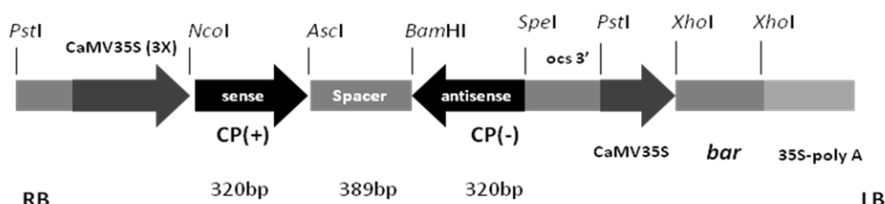
جدول ۱- محیط کشت‌های مورد استفاده در کشت بافت و تراریختی سیب‌زمینی به کمک آگروباکتریوم

**Table 1.** Culture media used in tissue culture and Agrobacterium mediated transformation of potato plants.

Media	Plant growth regulators (mg/l)			Antibiotic (mg/l)	Selection agent (mg/l)
	BAP	2,4-D	NAA	Cefotaxime	PPT
Callus induction	2	2	-	-	-
Rooting	-	-	0.02	250	1.5
Propagation	-	-	-	100	-

در تمام محیط‌ها، نمک‌ها و ویتامین‌های محیط پایه MS (Murashige and Skoog, 1962) با ۳۰ گرم در لیتر ساکارز، ۷ گرم در لیتر آگار گیاهی و pH ۵/۷ به عنوان محیط

پایه‌استفاده شد. Culture medias contain MS based culture medium containing 30 g/l sucrose, 7 g/l plant agar and pH 5.7.



شکل ۱- قطعه T-DNA در پلاسمید pCAMRNAiCP. توالی‌های مرزی سمت راست (RB)، توالی‌های مرزی سمت چپ (LB)، ژن فسفینوتریسین استیل ترانسفراز (*bar*)، پیش‌برنده *CaMV 35S* (3X)، قطعه سنس و آنتی‌سنس PVY CP، اینترون SPS (Spacer)، پایان‌دهنده اکتوپین سینتاز (OCS3')، *PstI*، *NcoI*، *Ascl*، *BamHI*، *SpeI* و *XhoI* آنزیم‌های برشی.

**Figure 1:** T-DNA construct of pCAMRNAiCP. RB, LB, Right and Left border, respectively; bar, Phosphinotricin acetyl transferase gene; CaMV35s, Cauliflower mosaic virus (CaMV) promoter; CP, sense and antisense of PVY coat protein; Spacer, SPS; Intron; OCS3', Octopine synthase terminator; *XhoI*, *SpeI*, *BamHI*, *Ascl*, *NcoI*, *PstI*, restriction enzymes.

جدول ۲- سه دستورالعمل پایه مورد استفاده برای باززایی سیب‌زمینی رقم مارفونا

**Table 2.** Three basal protocol used for potato regeneration

نوع محیط	تنظیم کننده رشد	منبع
M1	Z.R (0.8 mg /1) + GA3 (2 mg /1)	Beaujean <i>et al.</i> , 1998
M2	BAP (2.25 mg/1) + GA3 (5 mg/1)	Visser <i>et al.</i> , 1998
M3	Z.R (2.2 mg/1) + GA3 (0.15 mg/1) + NAA (0.02 mg/1)	Banerjee <i>et al.</i> , 2006

ZR= Zeatin riboside; GA3= Gibberellic acid; BAP= 6-Benzylamino-purine 2,4-D= 2,4-Dichlorophenoxy

جدول ۳- آغازگرهای اختصاصی ژن *bar*، قطعه سنس و آنتی‌سنس ژن CP، قطعه اینترون یا *spacer* و ژن *Tubulin* به عنوان کنترل داخلی (Housekeeping gene)

**Table 3.** Specific primers for CP, SPS, bar gene and *Tubulin* as an internal control (Housekeeping gene).

اسم آغازگر	ناحیه تکثیرشونده	توالی نوکلئوتیدی
CP PVY (sense)	Coat protein	F 5'- CCATGGAGTCAAACCCGAACAAAGGAAAAG -3'
		R 5'- GGCGCGCCAATGCACCAAACCATAAGCCCATG -3'
CP PVY (antisense)	Coat protein	F 5'- ACTAGTAGTCAAACCCGAACAAAGGAAAAG -3'
		R 5'- GGATCCAATGCACCAAACCATAAGCCCATG -3'
SPS	Spacer	F 5'-GGTGACCATGGGGCGCGCCAATCGATGATTTTAAAT-3'
		R 5'-CGCGAGGTCACCACTAGTTAATTAAGCTGAGG-3'
<i>bar</i>	Selectable marker	F 5'-CTCGAGTCAAATCTCGGTGACGGG-3'
		R 5'-CGAGTCTACCATGAGCCCAGAACG-3'
<i>Tubulin</i>	Housekeeping gene	F 5'-GCTTTCAACACCTTCCTTCAG-3'
		R 5'-GGGGCGTAGGAGGAAAAGC-3'

ویروس PVY-CP، بخش اینترون (SPS) بین قطعه سنس و آنتی‌سنس و ژن نشانگر انتخابی *bar* انجام شد (جدول ۳).

بیان ژن در سطح RNA: به منظور بررسی بیان ژن در سطح RNA آزمون Reverse Transcription PCR (RT-PCR) بعد از استخراج RNA کل از گیاهان سیب‌زمینی با استفاده از روش

آزمون گیاهان تراریخت احتمالی با استفاده از واکنش زنجیره‌ای پلیمرز (PCR): پس از استخراج DNA از گیاهان تراریخت احتمالی، به منظور بررسی اولیه و انتخاب لاین‌های تراریخته واکنش PCR با استفاده از سه جفت آغازگر اختصاصی از بخش‌های سنس و آنتی‌سنس سازه کدکننده پروتئین پوششی

پژوهش با نتایج پژوهش ما تا حدودی مطابقت دارد. البته تفاوت در مقادیر به دست آمده می‌تواند ناشی از تفاوت ژنوتیپ‌ها و یا شرایط آزمایش باشد. به طور کلی، ارقام مختلف سیب‌زمینی از نظر قدرت باززایی متفاوت بوده و نسبت به ترکیبات مختلف هورمونی واکنش متفاوت نشان می‌دهند. از آنجایی که کارایی تراریختی بسیار وابسته به ژنوتیپ است به همین دلیل تاکنون دستورالعمل‌های مختلفی در این زمینه منتشر شده است. به نظر می‌رسد محیط M3 محیط مناسبی برای رقم مارفونا باشد. در آزمایش‌های بعدی، این محیط در ترکیب با دستورالعمل رهنما و همکاران (۱۳۹۱) و با اعمال تغییراتی راندمان تراریختی را تا ۴۵ درصد افزایش داد. طول دوره تراریختی در پژوهش‌های اخیر انتقال ژن به سیب‌زمینی حدود ۷ تا ۱۰ هفته در ارقام سوپریر، بیتجی، شیودی و راست بربانک (Chakravarty, & Wang-Pruski, 2010) و ۹ هفته در رقم مارفونا (Kashani et al., 2012) گزارش شده است.

**تأیید تراریختی گیاهچه‌ها:** واکنش زنجیره‌ای پلیمرز با استفاده از DNA گیاهان تراریخت با جفت آغازگرهای قطعه سنس و ژن نشانگر انتخابی *bar*، قطعاتی با اندازه‌های ۳۲۰ و ۵۲۰ (شکل ۲) جفت بازی تکثیر نمود (شکل ۱). این در حالی بود که این قطعه‌ها در گیاهان غیرتراریخت تکثیر نشدند. گزارش‌های مشابهی مبنی بر موفقیت کاربرد تکنیک RNAi در تولید لاین‌های تراریخت توتون مقاوم به PVY (Smith et al. 2000) و ویروس موزاییک خیار (CMV) (Schwach et al., 2005) Kalantidis et al., 2000) وجود دارند.

**بیان ژن با استفاده از آزمون RT-PCR:** نتایج حاصل از آزمون RT-PCR با استفاده از آغازگرهای اختصاصی مربوط به ژن SPS ایترون بین قطعه سنس و آنتی‌سنس CP در اغلب لاین‌ها موفقیت‌آمیز بود (شکل ۳). در برخی موارد علت کارایی پایین RT-PCR بی‌ثباتی ساختار dsRNA و تخریب سریع آن گزارش شده است (Missiou et al., 2004). به منظور بررسی و مقایسه میزان بیان ژن هدف در لاین‌های مختلف (به صورت نیمه کمی) پس از استخراج RNA، غلظت‌سنجی و یکسان‌سازی نمونه‌های RNA مورد استفاده در واکنش RT-PCR انجام شد.

ترایزول (GibcoBRL, Carlsbad, California) انجام شد. ساخت cDNA با استفاده از آنزیم نسخه‌برداری معکوس M-MuLV (Roche, Mannheim, Germany) و آغازگر oligo (dT)<sub>15</sub> انجام گردید. پس از ساخت cDNA واکنش PCR با آغازگرهای اختصاصی قطعه ایترون (SPS) و ژن توبولین (tubulin) به عنوان کنترل داخلی گیاه به منظور کنترل کیفی و کمی نمونه‌های RNA استخراجی انجام گردید.

**زیست‌سنجی مقاومت به PVY:** در این پژوهش از گیاهچه توتون آلوده به PVY نژاد N در بخش ویروس شناسی موسسه گیاهپزشکی، پس از تأیید با آزمون الیزا استفاده شد. به منظور تهیه مایه ویروس، برگ‌های توتون آلوده به ویروس در مقداری بافر فسفات ۰/۱ مولار، pH ۷ به همراه ۰/۱ درصد مرکاپتواتانول و کاربوراندوم ۲ درصد در یک هاون از قبل خنک شده خمیر گردید و سپس به نسبت ۱۰/۲ (جرم/حجم) حل شد. عصاره به دست آمده بر روی برگ لاین‌های سیب‌زمینی تراریخت مایه‌زنی گردید. گیاهان در دو نوبت به فاصله ۱۵ روز با ویروس مایه‌زنی شدند. غلظت ویروس با استفاده از آزمون الیزا با آنتی‌بادی‌های پلی‌کلونال اختصاصی PVY خریداری شده از شرکت BIOREBA (Reinach, Switzerland) مورد ارزیابی قرار گرفت.

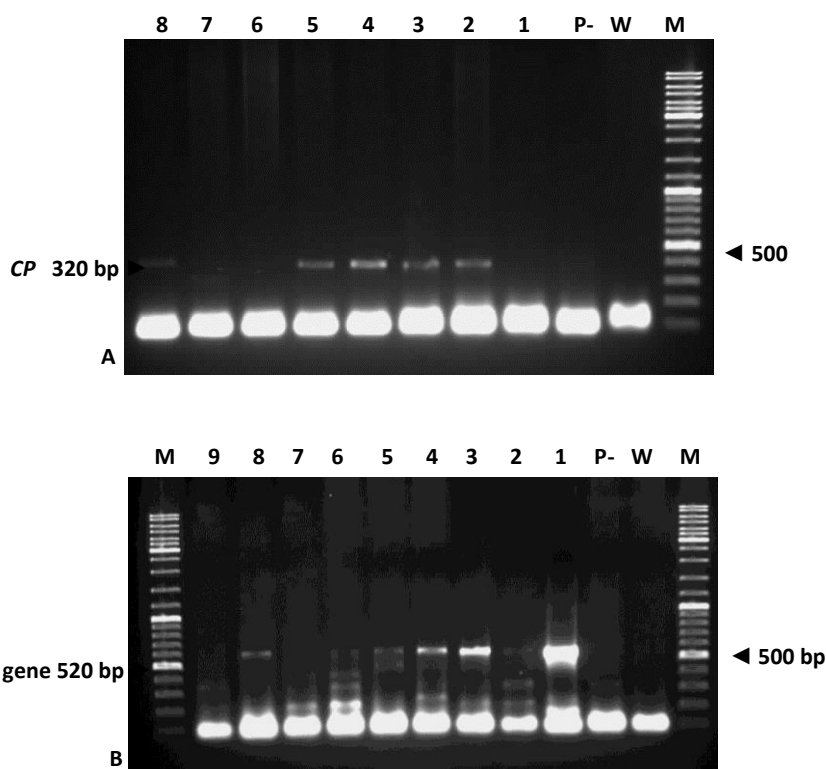
## نتایج و بحث

**باززایی و تراریختی سیب‌زمینی:** بررسی دستورالعمل‌های مختلف باززایی سیب‌زمینی در رقم مارفونا نشان داد که بیشترین درصد باززایی مربوط به محیط M3 با کمترین طول دوره تراریختی (۲۵ روز) بود. راندمان تراریختی در این محیط بر اساس واکنش زنجیره‌ای پلیمرز (PCR) با استفاده از آغازگرهای اختصاصی ژن SPS ۴۲ درصد به دست آمد که در مقایسه با دو محیط دیگر M1 (۱۴ درصد) و M2 (۲۲ درصد) بیشترین درصد تراریختی را به خود اختصاص داد (جدول ۴). راندمان تراریختی در رقم آندیجنا سیب‌زمینی با استفاده از *Agrobacterium tumefaciens* در حدود ۳۵ درصد با طول دوره ۲۸ روز گزارش شده است (Banerjee et al., 2006). نتایج به دست آمده از این

جدول ۴- مقایسه درصد باززایی و راندمان تراریختی در سه نوع محیط کشت مختلف در گیاه سیب زمینی

**Table 3.** Comparison of regeneration (%) and transformation (%) of potato plants in three different media

محیط کشت	باززایی (%)	مدت زمان باززایی (روز)	گیاهان تراریخت PCR <sup>+</sup> (%)
M1	30 <sup>c</sup>	33 <sup>a</sup>	14 <sup>c</sup>
M2	35 <sup>b</sup>	32 <sup>a</sup>	22 <sup>b</sup>
M3	43 <sup>a</sup>	25 <sup>c</sup>	42 <sup>a</sup>



شکل ۲- نتایج آزمون PCR بر روی DNA ژنومی گیاهان سیب زمینی تراریخت احتمالی با استفاده از آغازگرهای اختصاصی ژن CP (A) و bar (B); M، نشانگر DNA ladder mix (شرکت Roche). W، آب (به عنوان کنترل منفی)، P-، گیاه غیرتراریخته، چاهک ۱ تا ۹ گیاهان سیب زمینی تراریخت.

Figure 2: PCR analysis of putative transgenic potato plants using specific primers CP (A) and bar (B). M, molecular ladder; W, water (as negative control), 1-9, putative transgenic plants.

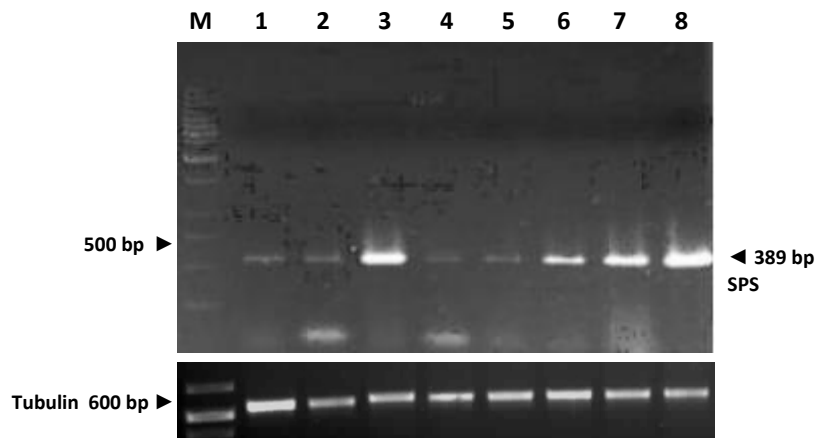
گیاهان در سه زمان (۱۴، ۲۱ و ۳۵ روز پس از آلودگی) مشاهده نشد (شکل ۴). ۶ درصد گیاهان تراریخت نسبت به آلودگی ویروسی واکنش بهبودی نشان دادند. به این صورت که بر اساس آزمون الیزا این گیاهان در اولین خوانش با مقدار ۰/۷۸ تا حدودی آلودگی داشتند. در حالی که در خوانش های بعدی ۲۱ و ۳۵ روز پس از آلودگی غلظت آلودگی کاهش یافت. ۱۲ درصد گیاهان تراریخت نسبت به PVY حساسیت نشان دادند. این نتایج در مقایسه با دیگر پژوهش ها نسبتاً چشمگیر و ارزنده به نظر می رسد. میسویی و همکاران (۲۰۰۴) نیز با تولید سیب زمینی تراریخت مقاوم به PVY با استفاده از روش خاموشی RNA گزارش کردند

نتایج RT-PCR با ژن کنترل داخلی توپولین درستی استخراج RNA و یکسان سازی صحیح غلظت نمونه های RNA مورد استفاده در واکنش RT-PCR را تأیید کرد (شکل ۳).

زیست سنجی مقاومت به ویروس: زیست سنجی مقاومت به PVY گیاهان تراریخت سیب زمینی نشان داد که حدود ۸۲ درصد گیاهان با نتیجه PCR مثبت با آغازگرهای ژن CP و bar نسبت به آلودگی PVY با کمترین مقدار غلظت آلودگی (خوانش الیزا ۰/۱۹ در طول موج ۴۰۵) مقاومت نشان دادند (جدول ۵). هیچ نوع علائم ظاهری ناشی از آلودگی ویروسی در برگ های این

ویروس را ۵ لاین از ۳۰ لاین (۱۷٪) گزارش کردند. کاووسی پور و همکاران (۱۳۹۱) با القای مقاومت به ویروس موزاییک خیار (CMV) با استفاده از سازه سنجاقت سری در لاین‌های توتون نشان دادند که بر اساس نتایج آزمون الیزا و علایم ظاهری حدود ۳۳ و ۳۰ درصد لاین‌ها به ویروس مقاوم بوده و یا در بروز علایم و آلودگی تأخیر نشان دادند.

که از ۱۵ لاین تراریخت حدود ۱۲ لاین به PVY مقاومت نشان دادند (Missiou *et al.* 2004). نتایج این پژوهش با Missiou *et al.* (۲۰۰۴) تقریباً همخوانی دارد. در حالی که در مقایسه با استفاده از دیگر روش‌های ایجاد مقاومت به PVY درصد مقاومت لاین‌های تراریخت بسیار پایین‌تر گزارش شده است. برای مثال پوررحیم و همکاران (۱۳۸۴) تعداد گیاهان تراریخت مقاوم به



شکل ۳- آزمون RT-PCR نیمه کمی بیان ژن SPS ایترون بین قطعه سنس و آنتی سنس. الکتروفورز محصول واکنش RT-PCR بر روی RNA هشت گیاه سیب زمینی تراریخت شده با استفاده از آغازگرهای اختصاصی ژن SPS (A). M: DNA ladder mix (شرکت Roche)، عکس B. الکتروفورز محصول RT-PCR با آغازگر اختصاصی ژن توبولین به عنوان کنترل داخلی به منظور کنترل کمی و کیفی RNA نمونه‌های لاین‌های مختلف سیب زمینی.

Figure 3: Semi-quantitative RT-PCR analysis of SPS intron. Electrophoresis of RT-PCR products of the transgenic potato plants (1-8) (A); RT-PCR products of tubulin gene as control (B)

جدول ۵- واکنش گیاهان تراریخت و غیرتراریخت نسبت به PVY<sup>N</sup> سویه N بر اساس علایم، آزمون PCR و آزمون ELISA

**Table 5.** Reaction of transgenic and non-transgenic plants to PVY<sup>N</sup> based on Signs, PCR and ELISA analysis.

Response to PVY inoculation (strain N)	Total	transgenic plants	Positive PCR			Mean of ELISA value			
			bar	CP	%	Inoculated leaves	upper leaves		
Transformed plants		Number	%	%	%	14dpi	21dpi	35dpi	
Resistance		29	80	40	38	0.19	0.20	0.24	
Recovered		17	6	15	14	0.78	0.30	0.35	
Susceptible		44	12	38	38	0.85	0.92	0.99	
Control		Susceptible	-	-	-	-	1.11	1.35	1.23

Resistance: مقاومت کامل، Recovered: برگ‌ها ۱۹ روز پس از آلودگی (dpi) علائم بیماری نشان دادند ولی در مراحل بعدی آلودگی کاهش پیدا کرد، Susceptible: گیاهان نسبت به آلودگی ویروسی حساسیت نشان دادند. خوانش الیزا در طول موج ۴۰۵ نانومتر در سه دوره زمانی ۱۴، ۲۱ و ۳۵ روز ارزیابی گردید. Control: گیاهان سیب زمینی غیر تراریخت (کنترل).

محصول مهم اقتصادی است و PVY سالانه خسارت زیادی به این محصول وارد می‌کند، تولید سیب زمینی تراریخت با مقاومت بالا از مهم‌ترین اهداف این پژوهش می‌باشد. پژوهش‌های مختلف بر روی توتون تراریخت مقاوم به CMV (Kalantidis *et al.*, 2000) و سیب زمینی تراریخت مقاوم به PVY (Missiou *et al.*, 2000)

استفاده از خاموشی ژن پس از رونویسی (PTGS) به طور موفقیت آمیزی به منظور ایجاد مقاومت به ویروس در گونه‌های مختلف گیاهی به کار گرفته شده است (Kalantidis *et al.* 2002; Liu *et al.* 2002; Missiou *et al.* 2004; Zhang *et al.* 2005; Krubphachaya *et al.* 2007; Patil *et al.* 2011; Yadav *et al.* 2011; McCue, *et al.*, 2012). با توجه به اینکه سیب زمینی یک

مداخله با ویروس توانستند در اغلب موارد مقاومتی کارآمد ایجاد کنند.

2004؛ Gaba, et al. 2010؛ McCue, et al., 2012) انجام شده است. آن‌ها با مطالعه تعامل ویروس و میزبان با تولید siRNA در



شکل ۴- زیست‌سنجی مقاومت به PVY در لاین‌های تراریخت سیب‌زمینی. I: لاین تراریخت سیب‌زمینی با واکنش بهبودی نسبت به PVY. II: گیاه سیب‌زمینی غیرتراریخت به عنوان کنترل. III: گیاه سیب‌زمینی تراریخت با مقاومت کامل به PVY.

Figure 4: Resistance of transgenic potato plants to PVY. I, Transgenic line with recovered resistance; II, Non-transgenic control plant; III, Transgenic line with high resistance.

لحاظ ایمنی زیستی نیز حائز اهمیت می‌باشد. چرا که توالی تراژن ویروسی ترجمه نمی‌شود. همچنین نسخه‌های رونویسی شده بلافاصله بعد از تولید به قطعات کوچک‌تر تجزیه می‌شوند. این ویژگی‌ها امکان کاهش خطرهای زیست‌محیطی مثل پوشش‌گذاری نامتشابه و نوترکیبی تراژن با ویروس مهاجم کاهش می‌دهد.

نتایج حاصل از پژوهش حاضر نشان داد که سیستم RNAi مبتنی بر پروتئین پوششی ویروس باعث ایجاد مقاومت موثر در گیاهان سیب‌زمینی می‌شود. گام مهم بعدی در این پژوهش بررسی تأثیر آلودگی دیگر ویروس‌های مهم سیب‌زمینی مثل PVX، PVS، PLRV و PVA در لاین‌های تراریخت سیب‌زمینی با هدف این که آیا این ویروس‌ها می‌توانند در مقاومت به PVY مداخله ایجاد کنند یا خیر؟.

مهندسی محصولات تراریخت مقاوم به ویروس از طریق خاموشی RNA در حقیقت نوعی الگو گرفتن از سازوکار دفاعی گیاهان بر علیه ویروس می‌باشد (Waterhouse et al., 2001؛ Vance and Vaucheret 2001؛ Baulcombe 2001). سازوکار RNAi به طور مشابه در گیاهان وحشی نیز اتفاق می‌افتد. اما دو عامل سیستم دفاعی گیاه را محدود می‌کند. اول- اینکه فرایند خاموشی بعد از وارد شدن ویروس به گیاه فعال می‌شود. دوم اینکه در بیشتر موارد (نه همه موارد) RNA ویروس‌های گیاهی پروتئین‌هایی تولید می‌کنند، که به عنوان سرکوبگرها (suppressors) شناخته شده‌اند، که منجر به اختلال در فرایند خاموشی می‌گردد. در مورد PVY پروتئین Helper (Hc-Pro) (component proteinase) نقش سرکوبگر بازی می‌کند (Mallory et al., 2001؛ Anandalakshmi et al., 1998).

یکی از جنبه‌های مهم کاربرد PTGS در مهندسی، ایجاد گیاهان مقاوم به ویروس این است که علاوه بر کارایی بسیار بالای آن، از

#### منابع

Anandalakshmi R, Pruss GJ, Ge X, Marathe R, Mallory AC, Smith TH, Vance VB. 1998. A viral suppressor of gene

silencing in plants. Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 95:22: 13079-84.

Banerjee AK, Prat S, Hannapel, DJ. 2006. Efficient production of transgenic potato (*S. tuberosum* L. ssp. andigena) plants via *Agrobacterium tumefaciens* mediated transformation. Plant Science, 170: 732-738.

- Baulcombe D. 2001.** RNA silencing. Diced defence. *Nature* 409: 295–6.
- Baulcombe D. 2004.** RNA silencing in plants. *Nature*, 431:356–63.
- Beujean A, Sangwan R, Lecardonnell A, Sangwan-Norreel B. 1998.** Agrobacterium mediated transformation of three economically important potato cultivars using sliced internodal explants: An efficient protocol of transformation. *Journal of Experimental Botany* 49(326): 1589-9.
- Borrelli VMG, Brambilla V, Rogowsky P, Marocco A, Lanubile A. 2018.** The Enhancement of Plant Disease Resistance Using CRISPR/Cas9 Technology. *Plant Science* 9:1245. doi: 10.3389/fpls.2018.01245
- Chakravarty B, Wang-Pruski G. 2010.** Rapid regeneration of stable transformants in cultures of potato by improving factors influencing Agrobacterium-mediated transformation. *Advances in Bioscience and Biotechnology* 1: 409-416.
- FAOSTAT. 2013.** Food and Agriculture Organization of the United Nations, FAOSTAT database. FAO Statistics Division 05 December. 2013. <http://faostat.fao.org/site/336/default.aspx>.
- Fateri Rezvani S, Pazhouhandeh M, Shirzad A, Lotfi S. 2016.** Production of Potato Resistant Plant to PVX using an RNA Silencing Mechanism. *Genetic Engineering and Biosafety Journal* 5: 1-14. (In Persian with English Abstract).
- Gaba V, Rosner A, Maslenin L, Leibman D, Singer S, Kukurt E, Shiboleti YM, Gal-On A. 2010.** Hairpin-based virus resistance depends on the sequence similarity between challenge virus and discrete, highly accumulating siRNA species. *European Journal of Plant Pathology* 128:153–164.
- Ghanbari Jahromi M, Rahnema H, Mousavi A, Safarnejad MR, Kalatejari S, Soheilvand S. 2015.** Transient expression of coding and non-coding regions of PVY confer resistance to virus infection. *Progress in Biological Sciences* 5: 19-31.
- Hameed A, Tahir MN, Asad S, Bilal R, Van Eck J, Jander G, Mansoor S. 2017.** RNAi-mediated simultaneous resistance against three RNA viruses in potato. *Molecular Biotechnology*, DOI 10.1007/s12033-017-9995-9
- Kalantidis K, Psaradakis S, Tabler M, Tsargris M. 2002.** The occurrence of CMV-specific short RNAs in transgenic tobacco expressing virus-derived double-stranded RNA is indicative of resistance to the virus. *Molecular Plant Microbe Interaction* 15: 826–33.
- Kavosipour S, Niazi A, Izadpanah K, Afsharifar A, Yasaie M. 2012.** Induction of resistance to cucumber mosaic virus (CMV) using hairpin construct of 2B gene. *Iranian Journal of Plant Pathology* 48: 209-219. (In Persian with English Abstract).
- Krubphachaya P, Juricek M, Kertbundit S. 2007.** Induction of RNA-mediated resistance to papaya ringspot virus type W. *Journal of Biochemistry and Molecular Biology* 40:404–411.
- Liu Y, Schiff M, Dinesh-Kumar SP. 2002.** Virus induced gene silencing in tomato. *Plant Journal* 31:777–786.
- Maki-Valkama T, Pehu T, Santala A, Valkonen JPT, Koivu K, Lehto K, Pehno E. 2000.** High level of resistance to potato virus Y by expressing P1 sequence in antisense orientation in transgenic potato. *Molecular Breeding* 6(1): 95-104.
- Mallory AC, Ely L, Smith TH, Marathe R, Anandalakshmi R, Fagard M, Vaucheret H, Pruss G, Bowman L, Vance VB. 2001.** HC-Pro Suppression of Transgene Silencing Eliminates the Small RNAs but Not Transgene Methylation or the Mobile Signal. *Plant Cell* 13: 571–83.
- Mccue KF, Ponciano G, Rockhold DR, Whitworth JL, Gray SM, Fofanov Y, Belknap WR. 2012.** Generation of PVY coat protein siRNAs in transgenic potatoes resistant to PVY. *American Journal of Potato Research* 89:374–383.
- Miroshnichenko D, Timerbaev V, Okuneva A, Klementyeva A, Sidorova T, Pushin A, Dolgov S. 2020.** Enhancement of resistance to PVY in intragenic marker-free potato plants by RNAi-mediated silencing of eIF4E translation initiation factors. *Plant Cell, Tissue and Organ Culture (PCTOC)* 140:691–705. https://doi.org/10.1007/s11240-019-01746-9
- Missiou A, Kalantidis K, Boutla A, Tzortzakaki S, Tabler M, Tsagris M. 2004.** Generation of transgenic potato plants highly resistant to *potato virus Y* (PVY) through RNA silencing. *Molecular breeding*, 14: 185-197.
- Murashige T, Skoog F. 1962.** A revised medium for rapid growth and bio-assays with tobacco tissue cultures. *Physiologia Plantarum* 15: 473–497.
- Niazi A, Malbobi MA, Moini A, Jalali Javaran M, Lohrasbi T. 2005.** Transient expression of gene silencing constructs in Beta Vulgaris for the study of resistance to BNYVV. Fourth national Biotechnology congress of Islamic Republic of Iran, Tehran. (In Persian with English Abstract).
- Nicola-Negri DE, Brtti A, Tavazza M, Iardi V. 2005.** Hairpin RNA-mediated silencing of *Plum pox virus* P1 and HC-Pro genes for efficient and predictable resistance to the virus. *Transgenic Research*, 14: 989–94.
- Patil BL, Ogowok E, Wagaba H, Mohammed I, Yadav SJ, Bagewadi B, Taylor NJ, Kreuze JF, Maruthi MN, Alical T, Fauquet CM. 2011.** RNAi-mediated resistance to diverse isolates belonging to two virus species involved in cassava brown streak disease. *Molecular Plant Pathology* 12:31–41.
- Porrahim R, Ahoonmanesh A, Hashemi H, Zeinaliu S, Farzadfar S. 2005.** The resistance of transgenic tobacco plant (*Nicotiana tabacum*) to three Iranian PVY. *Plant Pests and Diseases* 73: 17-37. In Persian.
- Rahnema H, Kohsari MS, Naderi H, Fahimi H. 2011.** High frequency plant regeneration from leaf, internode and microtuber explants of potato (*Solanum tuberosum* L.). *Iranian Journal of Plant Biology* 25: 120-129. (in Persian with English abstract).
- Rakosy-Tican E, Aurori A, Dijkstra C, Maior MC. 2010.** Generating marker free transgenic potato cultivars with a hairpin construct of PVY coat protein. *Romanian Biotechnological Letters* 15: 63-71.
- Sambrook KJ, Russell DW. 2001.** *Molecular Cloning: A Laboratory Manual*. Cold Spring Harbor Laboratory Press, Cold Spring Harbor, New York.
- Schwach F, Fabian EV, Louise J, Baulcombe DC. 2005.** An RNA-dependent RNA polymerase prevents meristem invasion by *potato virus X* and is required for the activity but not the production of a systemic silencing signal. *Plant Physiology*, 138: 1842–1852.

- Smith NA, Singh SP, Wang MB, Stotjesdijk PA, Green AG, Waterhouse PM. 2000.** Total silencing by intron-spliced hairpin RNAs. *Nature* 407: 319–20.
- Sohilivand S, Salehi Jouzani GR, Hormozi M. 2010.** The silencing of PVY genes using RNAi. Final Report. Agricultural Biotechnology Research Institute of Iran. In Persian with English Abstract.
- Valkonen JPT. 2007.** Potato viruses: economic losses and biotechnological potential. In *Potato Biology and Biotechnology* (Vreugdenhil, D., Bradshaw, J., Gebhardt, C. and Glovers, F. *et al.* eds), pp. 619–641. The Netherlands: Elsevier.
- Vance VB, Berger PH, Carrington JC, Hunt AG, Shi XM. 1995.** 5' proximal potyviral sequences mediate *potato virus X*/potyviral synergistic disease in transgenic plants. *Virology* 206:583-590.
- Visser R, Jacobsen E, Hesselting-Meinders A, Schans M, Witholt B, Feenstra W. 1998.** Transformation of homozygous diploid potato with an *Agrobacterium tumefaciens* binary vector system by adventitious shoot regeneration on leaf and stem segments. *Plant Molecular Biology* 12:329-37.
- Waterhouse PM, Wang MB, Lough T. 2001.** Gene silencing as an adaptive defense against viruses. *Nature*, 411: 834–842.
- Yadav SJ, Ogwok E, Wagaba H, Patil BL, Bagewadi B, Alicia T, Gaintan-Solis E, Talaylor NJ, Fauquest CM. 2011.** RNAi mediated resistance to *cassava brown streak Uganda virus* in transgenic cassava. *Molecular Plant Pathology* 12: 677–687.
- Zhan X, Zhang F, Zhong Z, Chen R, Wang Y, Chang L, Bock R, Nie B, Zhang J. 2019.** Generation of virus-resistant potato plants by RNA genome targeting. *Plant Biotechnology Journal* 17: 1814–1822.
- Zhang P, Vanderschuren H, Futterer J, Grussem W. 2005.** Resistance to cassava mosaic disease in transgenic cassava expressing antisense RNAs targeting virus replication genes. *Plant Biotechnology Journal* 3: 385–397.

Genetic Engineering and Biosafety Journal  
Volume 9, Number 2  
2021

## Induction of Resistance to Potato Virus Y (PVY) Using Hairpin Construct of Coat Protein

Hassan Rahnama<sup>1\*</sup>, Marzie Ghanbari<sup>2</sup>, Amir Mousavi<sup>3</sup>, Saeed Soheilvand<sup>1</sup>, Reza Pourrahim<sup>4</sup>

1- Agricultural Biotechnology Research Institute of Iran (ABRII), Agricultural Research Education and Extension Organization (AREEO), Karaj, Iran

2- PhD student, Science and Research Branch, Islamic Azad University, Tehran, Iran

3- Associate professor, National Institute of Genetic Engineering and Biotechnology, Tehran, Iran

4- Iranian Research Institute of Plant Protection, Agricultural Research Education and Extension Organization (AREEO), Iran

\*Corresponding Author, Email: hrahnama@abrii.ac.ir

### Abstract

Potato virus Y (PVY) is one of the most damaging viruses of potato plants which infects most cultivars and causes a significant decrease in yield products quality and also economical losses annually. Recently, the application of pathogen derived resistance mechanisms has opened new horizons for the development of virus-resistant transgenic plants. This research was carried out to study RNA silencing to engineered potato plants that are resistant to potato virus Y (PVY). RNAi construct was designed from coat protein (CP) segment of PVY. Potato explants were transformed by *Agrobacterium tumefaciens* AGL1 with pCAMRNAiCP containing *bar* selectable gene. The rate of regenerated plants was evaluated in the selected medium containing the herbicide phosphinotricin after growth and propagation. Transgenic plants and their gene expression were investigated using polymerase chain reaction (PCR) and RT-PCR. Results showed that 42 percent of regenerated plants were transformed. The expression of CP hairpin construct was determined by RT-PCR analysis in most of the lines. PVY resistance bioassay showed that 82 percent of transgenic potato plants were resistance to PVY.

**Key word:** gene silencing, potato, PVY, RNAi, virus resistance