

ایجاد گیاه سیب‌زمینی مقاوم به ویروس PVX با استفاده از مکانیسم RNA Silencing

شهلاسادات فاطری رضوانی^۱، مقصود پژوهنده^{۲*}، اکبر شیرزاد^۳ و سکینه لطفی^۴

Production of potato resistant plant to PVX using an RNA silencing mechanism

ShahlaSadat Fateri Rezvani, Maghsoud Pazhouhandeh*, Akbar Shirzad, and
Sakineh Lotfi

۱- دانش آموخته کارشناسی ارشد بیوتکنولوژی، ۲- دانشیار گروه بیوتکنولوژی
۳- دانشیار گروه گیاهپزشکی، ۴- دانش آموخته کارشناسی ارشد بیماری شناسی گیاهی
دانشکده کشاورزی، دانشگاه شهید مدنی آذربایجان، تبریز، ایران

Department of Biotechnology, Agriculture Faculty, Azarbaijan Shahid
Madani University, Km 35 Tabriz-Azarshahr Road, Iran.

* نویسنده مسئول مکاتبات، پست الکترونیکی: pazhouhandeh@gmail.com

(تاریخ دریافت: ۹۴/۶/۱۴ - تاریخ پذیرش: ۹۵/۲/۲۴)

چکیده

یکی از عوامل اصلی کاهش محصول سیب‌زمینی ویروسها هستند. ویروس X سیب‌زمینی (Potato X Potexvirus: PVX) از مهمترین ویروسهای این گیاه می‌باشد و عمده‌ترین روش مبارزه با آن استفاده از ارقام مقاوم است. در این تحقیق سعی شد با بهره‌گیری از تکنیک RNA silencing گیاهان سیب‌زمینی مقاوم به این ویروس تولید شود. برای این کار ابتدا با دو همسانه‌سازی متوالی یک سازه سنجاق‌سری برای انتهای ژن P25 ویروس PVX در ناقل pFGC5941 تحت پیشبر CaMV 35S ساخته شد. پروتئین P25 نقش ممانعت از RNA Silencing را در میزبان ویروس به عهده دارد. ناقل نو ترکیب حاصل پس از تایید، به آگروباکتریوم منتقل شده و قطعات برگ و میانگره سیب‌زمینی رقم آگریا به وسیله آگروباکتریوم سویه LBA4404 تراریزش شدند. پس از کالوس‌زایی، جوانه‌زنی و ریشه‌زایی، گیاهان تراریخته انتخاب و تکثیر شدند. بررسی مولکولی با PCR روی DNA گیاهان، با RT-PCR روی RNA آنها وجود تراژن و بیان شدن آن را تایید کرد. گیاهان تراریخته تکثیر شده و در گلخانه به روش مکانیکی با PVX تلقیح شدند. نتایج ELISA با آنتی‌بادی اختصاصی پروتئین پوششی PVX مقاومت دو لاین تراریخته را نشان داد. تایید مولکولی این دو لاین مقاوم سیب‌زمینی به PVX با RT-PCR روی RNA گیاهان به کمک آغازگرهای ژن پروتئین پوششی ویروس انجام شد. نتیجه این تحقیق منجر به تولید دو لاین مستقل سیب‌زمینی مقاوم به PVX گردید که بررسی مقاومت و این همانی آنها در شرایط مزرعه بایستی انجام پذیرد و مینی تیوبرهای آنها جهت تکثیر تولید شود.

واژه‌های کلیدی

سیب‌زمینی
PVX
مقاومت
تراریخته
خاموشی ژن

مقدمه

ویروس X سیب زمینی (Potato X Potexvirus: PVX) از مهمترین ویروس های این گیاه می باشد که باعث کاهش قابل توجه عملکرد آن می شود. این ویروس در سال ۱۹۳۱ توسط اسمیت توصیف شد. این ویروس از خانواده Flexiviridae و از جنس Potexvirus با پیکره نخی شکل خمش پذیر، با ژنوم +ssRNA و اندازه ذرات حدود 550×12 نانومتر است. میزان خسارت این ویروس بسته به نژاد و رقم سیب زمینی بین ۱۰ تا ۵۰ درصد گزارش شده است. آلودگی توام این ویروس با ویروس های PVA و PVY باعث ایجاد خسارت بیشتر می شود. این ویروس به آسانی از طریق مکانیکی، پیوند و غده منتقل می شود ولی انتقال از طریق بذر و شته گزارش نشده است (Beemster & de Bokx, 1987; Salazar, 1996; Verchot-Lubicz et al., 2007). در ایران این ویروس از اکثر مناطق کشور و گروه های نژادی یک و سه آن از استان های خراسان و اردبیل گزارش شده است (Foroutani et al., 2004). ویروس ها باعث کاهش عملکرد سیب زمینی از سالی به سال دیگر بخاطر تکثیر رویشی آن می شوند و در بین عوامل بیماریزای این گیاه اهمیت بسزایی داشته و روش درمان موثری برای آنها وجود ندارد. از این رو تنها راه رهایی از خسارت آنها استفاده از ارقام مقاوم، بذر عاری از ویروس و کنترل ناقلین در مزرعه می باشد. ژنهای مقاومتی مثل Rx در سیب زمینی در مقابل ویروس ها شناسایی شده است (Kohm et al., 1993; Verchot-Lubicz et al., 2007)، تاکنون چندین مطالعه منجر به گزارش گیاهان مقاوم به ویروس به کمک انتقال ژنهای ویروسی به میزبان شده اند. در تحقیقی نشان دادند که بیان پروتئین پوششی PVX در سیب زمینی باعث ایجاد مقاومت به این ویروس گردید (Bai et al., 2009) و یا در تحقیقی دیگر نشان دادند که بیان ژن رپلیکاز PVX در سیب زمینی مقاومت خوبی به PVX نتیجه داد (Longstaff et al., 1993). همچنین در تحقیقی مشابه P25 ویروس PVX در توتون بیان شد و مقاومت خوبی به PVX، TMV و سایر توباموویروس ها ایجاد نمود. در گیاهان توتون تراریخت دو ویروس مذکور هیچ علائمی نشان نداده و نتوانستند تکثیر شوند (Ares et al., 1998).

یکی از مکانیسم های جدید ایجاد مقاومت به ویروس که امروزه کاربرد فراوانی دارد RNA Silencing می باشد (Duan et al., 2012). RNA Silencing فرایند دفاعی قدرتمندی در یوکاریوتهاست که سبب تجزیه RNA ویروس و ممانعت از همانند سازی آن می شود. اما بسیاری از ویروس ها می توانند این فرایند را مختل کنند. این ویروس ها پروتئین های سرکوب کننده ای بنام Silencing Suppressors Protein (SSP) را بیان می کنند که RNA Silencing را سرکوب و باعث تکثیر ویروس می شود (Pazhouhandeh, 2009). این پروتئین ها بدون هومولوژی توالی با اجزاء مختلفی در مسیر RNA Silencing تداخل دارند. در مورد ویروس PVX پروتئین P25 به عنوان ممانعت کننده RNA Silencing شناخته شده است که با چسبیدن به پروتئین آرگونات در کمپلکس RISC و با تجزیه کردن آن از طریق پروتئازوم باعث سرکوب RNA Silencing در سلول می شود تا ویروس به راحتی تکثیر پیدا کند (Chiu et al., 2010).

اخیرا تحقیقاتی برای ایجاد مقاومت به ویروس از طریق RNA silencing انجام شده است که یا به کمک طراحی سازه های سنجاق سری تکرار معکوس و یا به کمک سازه های تولید کننده microRNA بوده است (Duan et al., 2012). در این تحقیق سعی شده با بهره گیری از تکنیک RNA silencing و تراریزش گیاهان سیب زمینی بوسیله سازه سنجاق سری طراحی شده برای انتهای ژن P25 گیاهان مقاوم به این ویروس ایجاد شود.

مواد و روشها

تهیه گیاه آلوده به ویروس PVX و استخراج RNA از برگ های سیب زمینی آلوده: از گیاه آلوده سیب زمینی (جداسازی شده از اطراف تبریز) که با ELISA و آنتی بادی اختصاصی PVX شناسایی شده بود، استخراج RNA با بافر Trizol به روش توصیف شده انجام شد (Chomczynski & Sacchi, 1987).

سنتز cDNA و تکثیر قطعه ای از ژن P25 ویروس PVX: با ۴ میکروگرم از RNA استخراج شده با استفاده از کیت SuperscriptIII (Invitrogen) سنتز cDNA انجام و به کمک

ولتاژ ۲/۵ کیلوولت به مدت پنج میلی‌ثانیه انجام شد. برای گزینش کلنی‌های مثبت بعد از تراریزش، با توجه به ساختار وکتور و وجود ژن مقاومت به آنتی‌بیوتیک کانامایسین روی وکتور، از محیط LB حاوی کانامایسین ۵۰ µg/ml استفاده شد. استخراج پلاسمید به روش mini prep (Sambrook et al., 1989) انجام گردید. به منظور تأیید بیشتر، وکتورهای نوترکیب، چهار وکتور نوترکیب برای توالی‌یابی به مرکز توالی‌یابی IBMP-CNRS فرانسه ارسال گردید. یکی از وکتورهای تأیید شده به روش الکتروپوراسیون به باکتری *Agrobacterium tumefaciens* نژاد LBA4404 منتقل شد. برای گزینش، کلنی‌های مثبت روی محیط LB جامد حاوی کانامایسین و ریفامپیسین ۱۰۰ µg/ml به مدت دو شب در انکوباتور ۲۸°C کشت شدند. سلول‌های آگروباکتریوم حامل وکتور نوترکیب pFGC5941 در محیط LB مایع دارای کانامایسین و ریفامپیسین تکثیر یافتند تا OD₆₀₀ آن به ۰/۷ تا ۱ رسید. بعد از حذف محیط کشت، ته‌نشست سلول‌های باکتری با محیط MS مایع مخلوط شد.

تراریزش گیاه سیب‌زمینی: گیاهان درون شیشه‌ای سیب‌زمینی رقم آگria برای اطمینان کامل از عاری بودن از ویروس PVX، با آزمون DAS-ELISA و RT-PCR مورد بررسی قرار گرفتند. سپس با استفاده از محیط MS (Murashige and Skoog 1962) درون شیشه‌های کشت تکثیر شدند. قطعات نیم تا یک سانتی‌متری میانگرمه ساقه گیاهان سیب‌زمینی تکثیر یافته برای انجام تراریزش استفاده شدند. کشت همزمان قطعات گیاه با سلول‌های شایسته آگروباکتریوم در دمای ۲۰°C به مدت یک ساعت، روی شیکر با سرعت ۵۰ rpm و در تاریکی درون ۲۰ میلی‌لیتر محیط MS مایع با نصف غلظت بدون آنتی‌بیوتیک انجام شد. ریزنمونه‌های گیاهی سپس به محیط MS غنی شده با (۰/۲ GA3، ۰/۲ NAA، ۰/۳ TDZ، ساکارز ۲/۵٪ و آگار ۸٪ حاوی آنتی‌بیوتیک Cefotaxime (350 mg/l) برای حذف آگروباکتریوم انتقال داده شده و در ۱۶ ساعت نور و ۸ ساعت تاریکی به مدت دو هفته نگهداری شدند تا کالوس‌زایی صورت گیرد. در این تحقیق از ۱۲۰ ریزنمونه برای تراریزش استفاده گردید. در ادامه کالوس‌های ایجاد شده به محیط کشت جدید حاوی Cefotaxime (PPT: 10 و Phosphinothricin

آغازگرهای اختصاصی دارای سایت‌های برشی P25Fint (AAAtctagactcgagATACCAGGCACTTTTTGCTGAC) به-عنوان آغازگر رو به جلو و P25R (AAGgatcccatggCTATGTCCCTGCGCGGACATA) به-عنوان آغازگر برگشتی با واکنش PCR قطعه ۴۰۰ جفت بازی انتهای P25 تکثیر شد.

همسانه سازی قطعه ژن P25 در وکتور pFGC5941

قطعه ژن ۴۰۰ نوکلئوتیدی P25 (Gene Bank: GQ863228.1) ویروس X سیب‌زمینی (PVX) ابتدا در بالادست ایترون pFGC5941 (11407 bp) وکتور Chalcone Synthase (CHSA) (Pazhouhandeh et al., 2006) به کمک آنزیمهای برشی NcoI و XhoI و واکنش الحاق با T4 DNA Ligase (Fermentase) در جهت sense قرار داده شد و وکتور حاصل پس از تأیید برای همسانه سازی دوم بکار رفت (شکل ۵۱). این بار قطعه فوق در پائین‌دست ایترون به کمک آنزیمهای برشی BamHI و XbaI و لیگاسیون قطعات برش یافته در جهت antisense به منظور تهیه سازه سنجاق سری P25 همسانه سازی شد. تأیید کلون‌های ایجاد شده با PCR به کمک آغازگرهای اختصاصی وکتور pFGC5941 (AATCCCACTACCTTCGCAAGACC) به‌عنوان آغازگر رو به جلو و Rint و pFGC5941 (CTTTCTACCTTCCCACAATTCG) به‌عنوان آغازگر برگشتی برای همسانه سازی اول در جهت sense و با استفاده از آغازگرهای اختصاصی Fint و pFGC5941 (CAGACAGATGTTTCCCAGCGAA) به‌عنوان آغازگر رو به جلو و Rext و pFGC5941 (AAACCGGCGGTAAGGATCTGAG) به‌عنوان آغازگر برگشتی جهت تأیید همسانه سازی دوم در جهت antisense انجام شد.

تکثیر وکتور pFGC5941 نوترکیب و انتقال آن به

آگروباکتریوم: از باکتری *Escherichia coli* نژاد Top10 برای انجام مراحل همسانه سازی قطعه ژن P25 استفاده شد. بعد از تهیه سلول‌های شایسته باکتری تراریزش باکتری به روش الکتروپوراسیون توسط دستگاه (Eppendorf) Multiporator با

برگشتی) واکنش PCR برای بررسی تکثیر یا عدم تکثیر ویروس انجام شد.

نتایج

همسانه سازی قطعه ژن P25 ویروس PVX در وکتور

pFGC5941: در این تحقیق برای ایجاد مقاومت به PVX، خاموش کردن ژن P25 از ژنوم PVX مورد نظر می‌باشد. بدین منظور سازه سنجاق سری تکرار معکوس قطعه انتهایی ژن P25 در وکتور pFGC5941 مطابق شکل (۱-الف) طراحی و ساخته شد تا به گیاه سیب‌زمینی منتقل شود. پس از بدست آوردن ویروس از روی نمونه های سیب‌زمینی و استخراج RNA و سنتز cDNA واکنش PCR برای تکثیر قطعه ژن با آغازگرهای اختصاصی (P25Fint, P25R) حاوی سایت‌های برشی انجام شد (شکل ۱-ب). پس از تایید محصول ۴۰۰ جفت بازی PCR روی ژل آگارز الکتروفورز، خالص سازی آن و برش آنزیمی ابتدا با آنزیمهای *XhoI* و *NcoI* انجام گردید. برش آنزیمی همزمان روی وکتور خالی نیز صورت گرفت. پس از برش آنزیمی، قطعات مورد نیاز از روی ژل آگارز با دمای ذوب پایین (LMP) جداسازی و خالص سازی شد. با توجه به اینکه در آغازگرهای P25Fint و P25R، به ترتیب مکان آنزیمهای *XhoI* و *NcoI* تعبیه شده است، از واکنش برش آنزیمی محصول PCR باند ۴۰۰ bp بدست آمد (شکل ۱-ج). از برش آنزیمی وکتور خالی بخاطر نزدیک بودن دو سایت برشی با حذف تقریباً ۸۰ bp وکتور به شکل خطی درآمد (شکل ۱-د).

بعد از انجام واکنش لیگاسیون بین محصول PCR و وکتور برش یافته و خالص سازی آن، محصول لیگاسیون به باکتری *E. coli* منتقل و از کلنی‌هایی که بر روی محیط حاوی کانامایسین (ژن مقاومت در وکتور pFGC5941) رشد کرده بودند، واکنش PCR با آغازگرهای اختصاصی وکتور pFGC5941 در جهت sense (Fext و Rint) انجام شد (شکل ۲-الف).

(mg/l) برای گزینش نمونه‌های تراریخت منتقل شدند. کالوس زایی ادامه یافت و جوانه‌زنی آغاز شد. فقط گیاهان تراریخت با T-DNA مورد نظر که ژن مقاومت به PPT را دریافت کرده بودند، در این مرحله به رشد ادامه دادند. کالوسهای گزینش شده پس از ریشه زایی به محیط جدید حاوی (۰/۰۲ mg/l) GA3، (۰/۰۲ mg/l) NAA و (۰/۳ mg/l) TDZ منتقل شدند تا جوانه زنی صورت گیرد. گیاهان کامل به‌دست آمده به صورت مستقل نامگذاری و برای تایید تراریخت بودن مجدداً به مدت دو هفته دیگر در شرایط گزینش واکشت شدند.

روش‌های مولکولی تایید تراریخت بودن گیاهان و بررسی

انتقال و رونویسی ژن هدف: استخراج DNA ژنومی از سه گیاه تراریخت به روش CTAB صورت گرفت (Doyle & Doyle, 1987). برای تایید وجود T-DNA در داخل ژنوم این گیاهان، از PCR با آغازگرهای مختلف قطعه کلون شده P25 و همچنین آغازگرهای مربوط به وکتور استفاده شد. پس از تکثیر گیاهان تراریخت، استخراج RNA به روش Trizol انجام شد (Chomczynski & Sacchi, 1987). سپس cDNA با کیت SuperscriptIII (Invitrogen) سنتز و واکنش PCR با آغازگرهای اختصاصی قطعه ژن P25 جهت بررسی وجود mRNA انجام گردید.

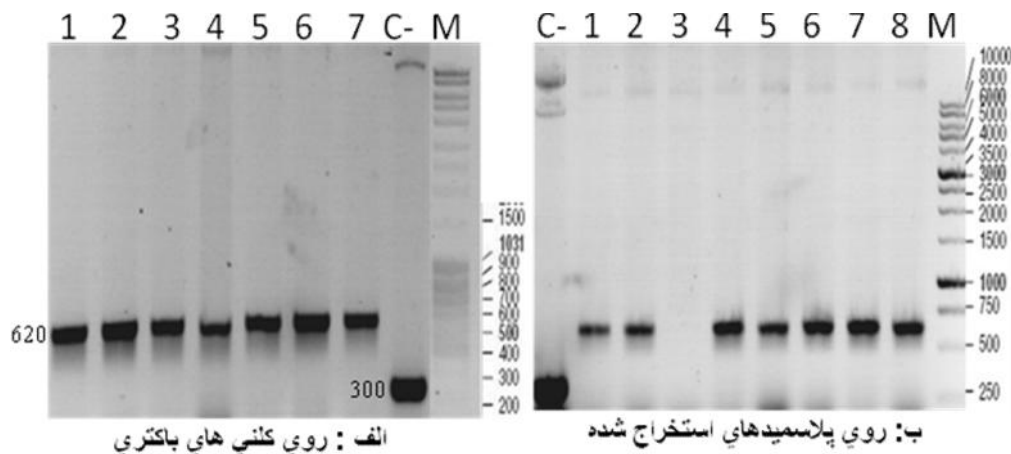
بررسی مقاومت گیاهان تراریخت به PVX: گیاهچه‌های

درون شیشه‌ای تراریخت تکثیر یافته به‌همراه گیاهان غیرتراریخت به بستر کشت حاوی پرلیت ۲۰٪، کوکوپیت ۲۰٪ و خاک ۶۰٪ منتقل و پس از دو هفته آبیاری با محلول MS نصف غلظت به محیط خاک سازگاری یافتند. ویروس PVX پس از تکثیر در گیاه توتون و تایید آلودگی از طریق آزمون ELISA به کمک آنتی‌بادی‌های اختصاصی پروتئین پوششی ویروس، برای تلقیح به روش مکانیکی روی گیاهان تراریخت و غیرتراریخت استفاده گردید. دو هفته پس از تلقیح، RNA گیاهان از برگهای جدید تلقیح نشده بالایی استخراج و سنتز cDNA انجام گرفت. با استفاده از آغازگرهای اختصاصی ژن پروتئین پوششی ویروس PVX (aaGGATCCatgtcagcaccagctagcaca) PVXCPF: آغازگر رو به جلو و (aaGAATTCttatggtgtgggagagtgac) PVXCPR: آغازگر



نقشه وکتور pFGC5941

Fig1. Cloning of PVX P25 in pFGC5941 plasmid (sense).



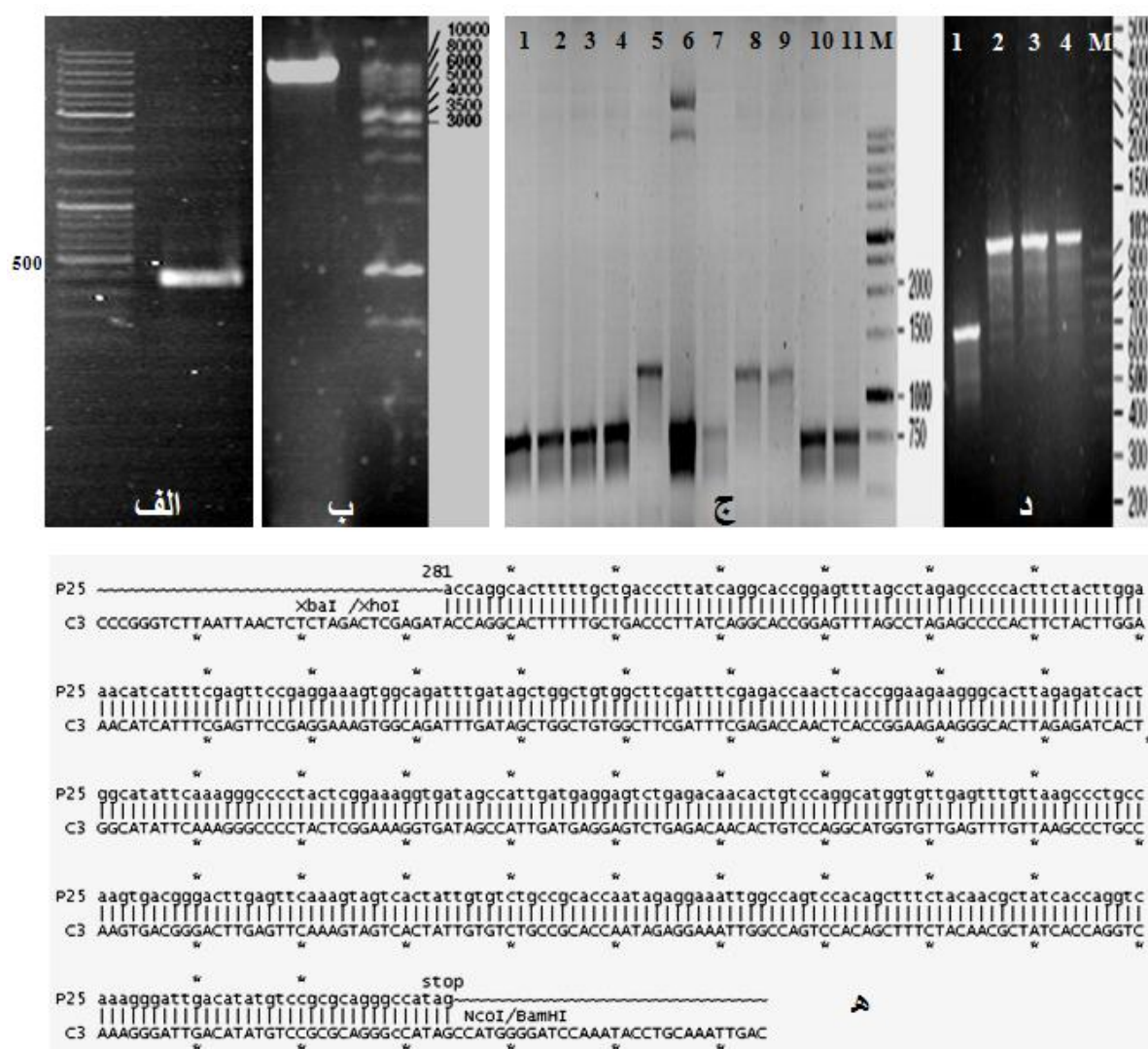
شکل ۲- نتیجه الکتروفورز محصول PCR با آغازگرهای اختصاصی وکتور (Rint و Fext) روی کلنی‌های باکتری (الف) و روی پلاسمیدهای استخراج شده از باکتری (ب) حاوی وکتور نوترکیب pFGC5941 محصول همسانه‌سازی اول قطعه ژن P25 در جهت sense. (الف) در هفت ستون ۱-۷ باند ۶۲۰ جفت بازی دیده می‌شود. در ستون آخر (C-) باند تقریباً ۳۰۰ جفت بازی نتیجه PCR روی وکتور خالی به عنوان کنترل می‌باشد که در آن فاصله این دو آغازگر ۳۰۰ جفت باز است. (ب) در ستون اول (C-) باند ۳۰۰ جفت بازی مربوط به کنترل منفی (وکتور خالی) و در بقیه ستون‌ها باند ۶۲۰ جفت بازی قابل مشاهده است. (در ستون ۳ بخاطر مشکل در PCR بانندی مشاهده نمی‌شود)

Fig2. The Electrophoresis of PCR products on bacterial (a) and Plasmid DNA (b) with plasmid primers

جداسازی و خالص سازی شد و واکنش لیگاسیون بین آنها صورت پذیرفت. پس از انتقال به باکتری و گزینش کلنی‌ها، واکنش PCR با آغازگرهای اختصاصی وکتور (Rext و Fint) روی کلنی‌ها انجام و از کلنی‌های مثبت حاوی قطعه ژن، باند تقریباً ۱۱۷۲ bp به دست آمد (شکل ۳-ج). آغازگر Rext از نوکلئوتید ۴۲۹۱ و آغازگر Fint از نوکلئوتید ۳۵۰۵ به وکتور pFGC5941 اتصال پیدا می‌کنند، لذا باند حاصله روی وکتور خالی باید دارای ۷۸۶ bp باشد (شکل ۳-ج)، و در صورت داشتن قطعه P25 در جهت آنتی سنس با افتادن ۱۴ bp هنگام برش بایستی باند ۱۱۷۲ bp (۷۸۶+۴۰۰-۱۴) بدست آید. سه کلنی گزینش شده چنین بانندی را نشان دادند (شکل ۳-ج) از این سه کلنی، استخراج پلاسمید صورت گرفت و برای تأیید آن‌ها واکنش PCR دوباره انجام یافت (شکل ۳-د). برای تأیید بیشتر پلاسمیدهای نوترکیب حاصل، این سه وکتور نهائی برای توالی-یابی ارسال گردید. توالی یکی از این وکتورها برای هر چهار آغازگر روی وکتور pFGC5941 با توالی P25 چاپ شده در NCBI به شماره GQ863228 بررسی و به‌خوبی تأیید شد (شکل ۳-ه) که از آن برای ادامه کار استفاده گردید.

وکتور نوترکیب جدید بایستی بانندی معادل ۶۲۰ bp (۸۰+۴۰۰+۳۰۰) می‌داد که در شکل مشخص می‌باشد. ۴۰۰ bp اندازه قطعه ژن P25 وارد شده و ۳۰۰ bp فاصله پرایمرها روی وکتور خالی و ۸۰ bp قطعه افتاده از وکتور در برش آنزیمی می‌باشد. تقریباً تمام کلنی‌هایی که روی محیط انتخابی رشد کرده بودند، باند درستی را نشان دادند که در شکل (۲-الف) نتیجه PCR روی هفت کلنی آورده شده است. جهت تأیید نهایی کلنی‌های مثبت، پلاسمیدهای آن‌ها استخراج و از آن‌ها نیز PCR با شرایط فوق انجام شد (شکل ۲-ب). از یکی از آن‌ها برای شروع همسانه سازی دوم در جهت antisense استفاده شد.

به منظور قرارگیری قطعه P25 در جهت antisense در وکتور pFGC5941 بار دیگر واکنش PCR با آغازگرهای اختصاصی قطعه ژن P25 (P25R و P25Fint) انجام و قطعه ۴۰۰ bp تکثیر شد (شکل ۳-الف). پس از تأیید نتیجه، بقیه محصول PCR مانند قبل خالص سازی و برای برش آنزیمی، این بار از دو آنزیم *Bam*HI و *Xba*I استفاده شد. وکتور محصول همسانه سازی اول نیز همزمان با این دو آنزیم برش یافت (شکل ۳-ب). قطعات مطلوب پس از برش آنزیمی روی ژل آگارز LMP



شکل ۳- همسانه سازی قطعه ژن P25 در جهت آنتی سنس در وکتور pFGC5941: الف) نتیجه الکتروفورز محصول PCR قطعه ژن P25 ۴۰۰ جفت باز پس از برش آنزیمی با *XbaI* و *BamHI* روی ژل آگارز LMP. ب) نتیجه الکتروفورز وکتور نو ترکیب pFGC5941-P25 محصول همسانه سازی اول پس از برش آنزیمی با آنزیمهای فوق. ج) نتیجه الکتروفورز محصول PCR برای تایید همسانه سازی دوم قطعه ژن P25 در جهت آنتی سنس روی کلی های گزینش شده در محیط انتخابی با آغازگرهای اختصاصی وکتور (Rext و Fint). در ستون های ۵، ۸ و ۹ دارای باند ۱۱۷۲ جفت بازی و بقیه فاقد P25 هستند. ستون ۶ باند ۷۸۶ جفت بازی نتیجه PCR روی وکتور خالی به عنوان کنترل است. د) نتیجه الکتروفورز محصول PCR برای تایید مجدد همسانه سازی دوم قطعه ژن P25 در جهت آنتی سنس روی سه پلاسمید استخراج شده از کلی های مثبت که باند با اندازه ۱۱۷۲ جفت باز دارند و ستون اول نتیجه PCR روی وکتور خالی به عنوان کنترل است. M: مارکر اندازه DNA. ه) هم ردیفی نتیجه توالی-یابی یکی از سه پلاسمید مثبت pFGC5941 دارای قطعه ژن P25 در هر دو جهت سنس و آنتی سنس با چهار آغازگر وکتور و مقایسه قطعه ژن P25 جهت آنتی سنس موجود در آن با توالی ثبت شده P25 در NCBI، به کمک نرم افزار APE.

Fig3. Cloning of PVX P25 in pFGC5941 plasmid (antisense).

آگروباکتریوم منتقل و وجود این پلاسمید در آنها با PCR تایید شد. این کلی تکثیر و برای تراریزش گیاهان سیب زمینی در ادامه کار استفاده شد. گیاهچه های درون شیشه های سیب زمینی رقم آگریا در محیط MS تکثیر شده و قبل از شروع از جهت وجود

تراریزش گیاه سیب زمینی با وکتور نو ترکیب pFGC5941

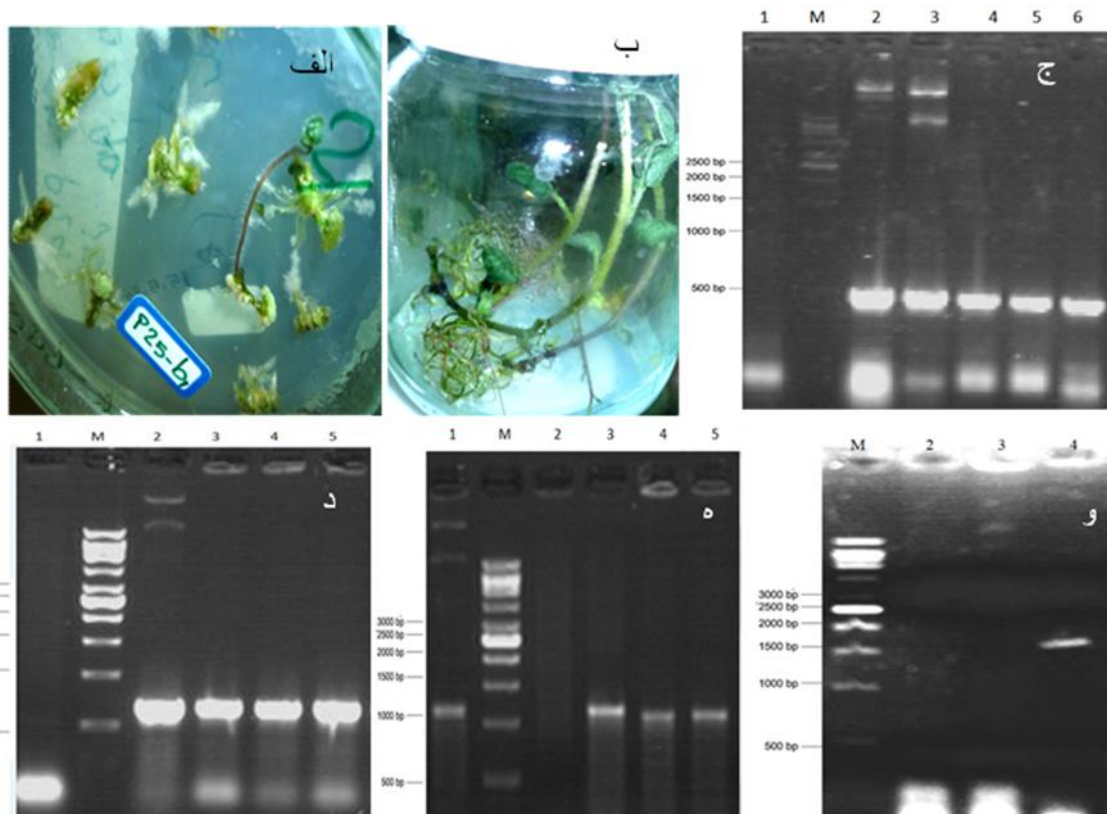
تولید کننده سازه سنجا ق سری P25 ویروس PVX به کمک آگروباکتریوم: ناقل نو ترکیب pFGC5941 بعد از اینکه در هر دو جهت سنس و آنتی سنس توسط توالی یابی تایید شد، به سلول های

ظرف کشت تنها یک گیاه حاصل از تراریزش قرار گرفت و نامگذاری مستقل شده و تکثیر یافت. این گیاهان در سن چهار هفتگی برای آنالیزهای مولکولی استفاده شدند.

بررسی وجود تراژن در DNA گیاهان تراریخت: DNA

ژنومی سه گیاه از بین گیاهان حاصل از محیط انتخابگر استخراج شد. برای تأیید وجود T-DNA در داخل ژنوم این گیاهان، از PCR با آغازگرهای مختلف قطعه کلون شده در وکتور استفاده شد. بدین منظور سه نوع PCR مختلف بصورت زیر انجام پذیرفت.

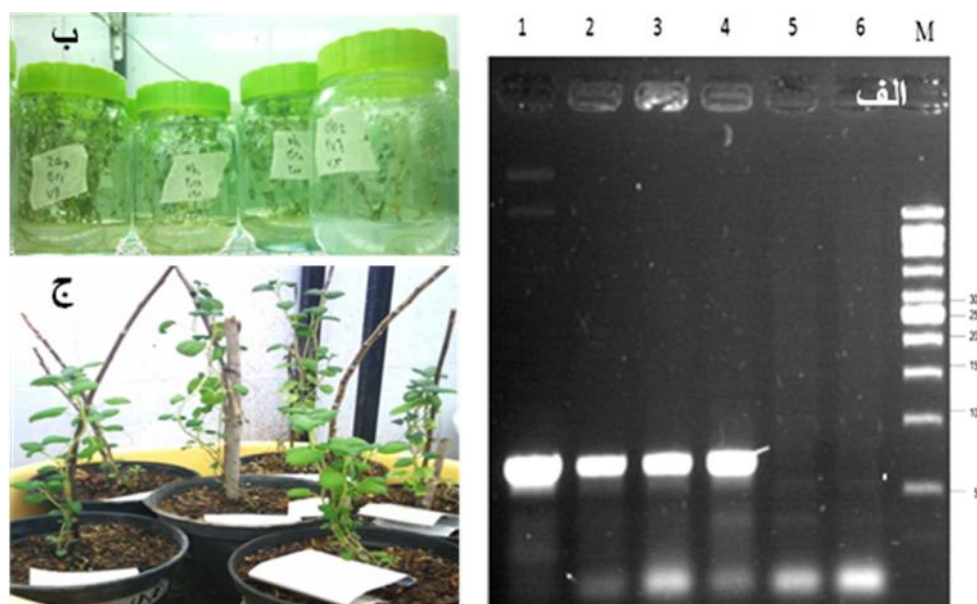
چند ویروس مهم با ELISA تست شدند. سپس، میانگره‌های آنها به طول نیم تا یک سانتی‌متر تهیه و جهت همکشتی با آگروباکتریوم حاوی پلاسمید نو ترکیب pFGC5941 استفاده شد. نمونه‌ها بعد از یک ساعت هم کشتی در محیط کالوس‌زایی حاوی آنتی بیوتیک Cefotaxime برای حذف آگروباکتریوم قرار داده شدند و تقریباً بعد از ۱۴ روز کالوس‌ها تشکیل یافتند. سپس گیاهان به مدت ۴ هفته در محیط جوانه‌زنی حاوی عامل انتخاب-گر روی T-DNA، یعنی PPT و همچنین Cefotaxime برای اطمینان از عدم رشد آگروباکتریوم‌های باقیمانده برده شدند و جوانه زنی گیاهانی که در برابر PPT مقاوم بودند آغاز شد. در هر



شکل ۴- تأیید وجود تراژن در گیاهان تراریخت سیب‌زمینی: (الف) کالوس‌زایی و جوانه‌زنی ریزنمونه‌های تراریخت سیب‌زمینی با سازه سنجا ق‌سری P25 و ویروس PVX. (ب) جداسازی جوانه‌ها و ریشه‌زایی و بازکشت گیاهان سیب‌زمینی تراریخت. (ج) نتیجه الکتروفورز محصول PCR با آغازگرهای P25 R و P25 Fint روی DNA ژنومی گیاهان سیب‌زمینی تراریخت (ستون‌های ۴، ۵، ۶ مربوط به سه گیاه حاوی باند ۴۰۰ bp)، ستون ۱ مربوط به کنترل منفی روی DNA گیاه سیب‌زمینی غیرتراریخت انجام شده است. ستون ۲ و ۳ محصول PCR به ترتیب روی وکتور pFGC5941 نو ترکیب و وکتور pPVX به عنوان کنترل مثبت. (د) نتیجه الکتروفورز محصول PCR با آغازگرهای pFGC5941 Rint و pFGC5941 Fext، روی DNA ژنومی گیاهان تراریخت، باند موجود در ستون‌های ۳، ۴ و ۵، ۶ جفت باز است که این باند با PCR کنترل مثبت که روی وکتور pFGC5941 نو ترکیب انجام شده (ستون ۲) برابری می‌کند. ستون ۱، کنترل منفی روی گیاه غیرتراریخت. (ه) نتیجه الکتروفورز محصول PCR با آغازگرهای pFGC5941 Rext و pFGC5941 Fint، روی DNA ژنومی گیاهان تراریخت، باند موجود در ستون‌های ۳ تا ۵، ۱۱۷۲ جفت باز بوده و با باند کنترل مثبت که روی وکتور pFGC5941 نو ترکیب انجام شده (ستون ۱) برابر است، ستون ۲ نتیجه PCR کنترل منفی روی گیاه غیرتراریخت. (و) نتیجه الکتروفورز محصول RT-PCR با آغازگرهای pFGC5941 Rext و pFGC5941 Fext، روی cDNAهای سنتز شده از RNAهای گیاهان تراریخت. از دو گیاه تراریخت باندی رویت نشد

ولی در ستون شماره چهار که مربوط به گیاه سوم بود باند دیده می شود. با در نظر گرفتن حذف توالی ایترون در cDNA، با حذف ۱۳۵۲ جفت باز طول ایترون CHAS باندی در محدوده ۲۰۰۰-۱۵۰۰ جفت باز حاصل خواهد شد که باند ستون ۳ در این محدوده قرار گرفت.

Fig4. Confirmation of transgene presence in transgenic potato plants (DNA and PCR).



شکل ۵- الف) نتیجه الکتروفورز محصول PCR با آغازگرهای pFGC5941 Rint و pFGC5941 Fext روی cDNAهای سنتز شده از RNAهای استخراج شده از گیاهان تراریخت. باند ۶۲۰ جفت بازی در ستون های ۲، ۳ و ۴ که با اندازه باند کنترل مثبت در ستون ۱، یعنی pFGC5941 نو ترکیب برابری می کند. دو ستون آخر، نتیجه PCR روی cDNA گیاه غیرتراریخت به عنوان کنترل منفی می باشد. (ب) تکثیر درون شیشه ای گیاهان تراریخت سیب زمینی در لاین های مستقل. (ج) انتقال و سازگاری گیاهان تراریخت سیب زمینی به گلدان.

Fig5. Confirmation of transgene expression (RNA and RT-PCR) in transgenic potato plants.

(ج) PCR با آغازگرهای pFGC5941 Rint و pFGC5941 Fext: این PCR با جفت آغازگرهای دو طرف محل ورود قطعه P25 در جهت آنتی سنس انجام شد. نتیجه این PCR نشان داد که قطعه ژن P25 در جهت آنتی سنس هم به DNA ژنومی هر سه گیاه تراریخت وارد شده است (شکل ۴-ج). بررسی بیان تراژن در گیاهان تراریخت با RT-PCR: از سه لاین انتخاب شده از گیاهان تراریخت پس از تکثیر و تایید حضور تراژن در درون DNA ژنومی آنها، استخراج RNA با استفاده از روش مبتنی بر Trizol صورت گرفت و سپس تیمار DNase انجام شد. پاسخ منفی PCR اولیه روی RNA ها پس از تیمار DNase نشان داد که آلودگی DNA وجود ندارد. آنگاه از روی RNAها، cDNA سنتز شده و با استفاده از آغازگرهای pFGC5941 Rint و pFGC5941 Fext و واکنش PCR انجام شد. هدف از این کار، بررسی حضور

(الف) PCR با آغازگرهای P25 R و P25 Fint روی DNA ژنومی گیاهان تراریخت: نتیجه این PCR برای هر سه DNA ژنومی مثبت بود. از وکتورهای pFGC5941 نو ترکیب و PVX به عنوان کنترل مثبت استفاده شد (شکل ۴). ستون های ۳، ۴ و ۵ از روی DNA سه گیاه مختلف حاصل از محیط انتخابگر انجام شد. بدین ترتیب وجود تراژن در این گیاهان تایید گردید.

(ب) PCR با آغازگرهای pFGC5941 Rint و pFGC5941 Fext: این PCR با آغازگرهای مربوط به وکتور در ناحیه بالادست و پایین دست محل ورود قطعه P25 در جهت سنس یعنی pFGC5941 Rint و pFGC5941 Fext انجام شد. باند موجود در ژنوم گیاه، با نتیجه حاصل از وکتور pFGC5941 نو ترکیب در جهت سنس مطابقت داشت (شکل ۴-ب).

نتیجه الکتروفورز آنها نشان داد که سنتز cDNA در همه نمونه‌ها تقریباً بصورت یکسان به خوبی انجام شده است. آنگاه واکنش PCR با آغازگرهای اختصاصی CP-PVX صورت گرفت. نتیجه الکتروفورز محصول PCR نشان داد که گیاهان تراریخت لاین اول و دوم مقاوم به PVX هستند (شکل ۶- ب). اندازه باند محصول PCR ژن پروتئین پوششی ۷۱۴ جفت باز است که در کنترل مثبت و گیاهان غیر تراریخت دیده شد اما در تکرارهای دو لاین تراریخت مشاهده نشد. بدین وسیله نتیجه ELISA با RT-PCR تایید شد.

نتایج مجموعاً نشان داد که دو لاین از رقم آگریا سیب زمینی تراریخت شده‌اند و حاوی سازه سنجا ق سری قطعه‌ای از ژن P25 ویروس PVX که ممانعت‌کننده از RNA Silencing در میزبان است بوده و مقاومت به این ویروس را دریافت کرده‌اند و تاکنون تغییر ریختی ناهنجاری در گیاهان تراریخت مشاهده نشده است. در ادامه بایستی گیاهان این دو لاین تکثیر شده و ضمن کشت در گلخانه و بررسی مرفولوژی آنها به تولید مینی تیوبر اقدام و میزان تولید آنها با گیاهان غیر تراریخت مقایسه شود.

بحث و نتیجه گیری

ویروس‌ها برای ایجاد بیماری در میزبان و جهت همانندسازی و تکثیر خود نیازمند غلبه بر RNA Silencing میزبان هستند. در طول زمان و در تکامل با میزبان ویروس‌ها پروتئین‌هایی در ساختار خود تعبیه کردند که از RNA Silencing میزبان ممانعت می‌کند. چنین پروتئین‌هایی بنام Suppressor of Silencing یا ممانعت کننده از RNA silencing مشهور هستند که کم و بیش در تمام جنس‌های ویروسی شناسایی شده‌اند یا در حال شناسایی می‌باشند (Pazhouhandeh, 2009; Moissiard & Voinnet, 2004). این پروتئین‌ها، با توالی‌های مختلف هر کدام بطور مستقل و اختصاصی، بخشی از مکانیسم RNA Silencing را از کار می‌اندازند (Voinet, 2001). P25 یکی از پروتئین‌هایی است که از ژنوم PVX کد می‌شود و دارای چند وظیفه مهم مثل ممانعت کننده از RNA Silencing و پروتئین حرکتی ویروس می‌باشد (Chiu et al., 2010). در سال ۲۰۱۰ توسط گروه

mRNAهای حاصل از رونویسی سازه سنجا ق سری بود (شکل ۴- و). فقط در cDNA سنتز شده از RNA گیاه سوم باندی در محدوده ۲۰۰۰ جفت باز دیده شد که می‌تواند تأیید حضور P25 dsRNA در رونوشت‌های کل این گیاه باشد. در مورد گیاهان ۱ و ۲ احتمالاً dsRNAهای این گیاهان در مکانیسم RNA Silencing قرار گرفته‌اند و به siRNAهای ۲۱ تا ۲۴ نوکلئوتیدی تبدیل شده‌اند. برای اطمینان از بیان شدن تراژن در گیاهان تراریخت روی cDNA آنها واکنش PCR به کمک آغازگرهای pFGC5941 Fext و pFGC5941 Rint (مخصوص تأیید جهت سنس) انجام شد و در هر سه گیاه وجود باند ۶۲۰ جفت بازی همچون کنترل مثبت که روی وکتور انجام شد مشاهده گردید (شکل ۵- الف).

بررسی مقاومت گیاهان تراریخت به ویروس PVX با

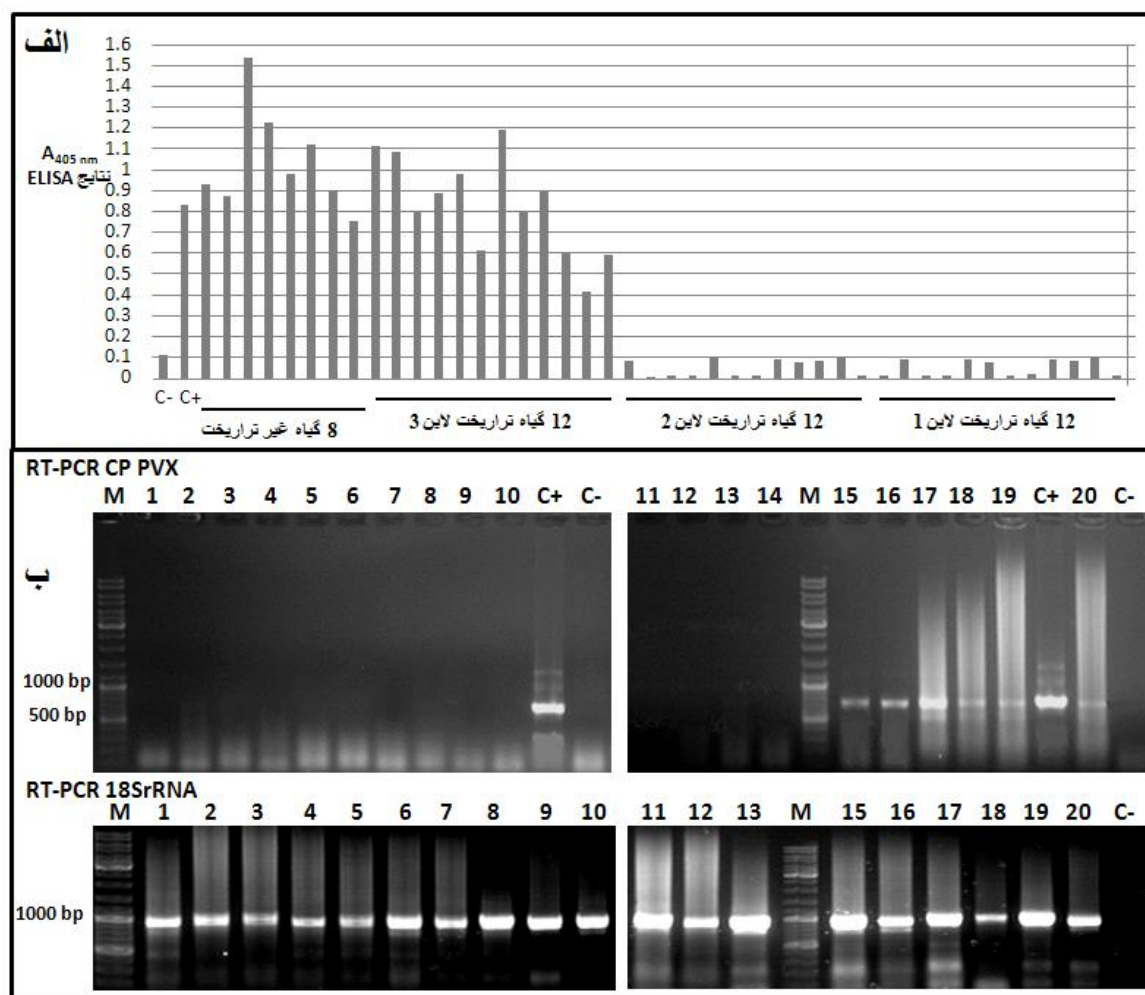
ELISA: پس از تکثیر درون شیشه‌ای گیاهان تراریخت (شکل ۵- ب) و انتقال آنها به گلدانهای حاوی پرلیت و کوکوپیت، سازگار کردن آنها با آبیاری با محیط کشت MS مایع یک پنجم غلظت صورت گرفت (شکل ۵- ج). عصاره ویروس PVX تکثیر شده در آزمایشگاه به صورت مکانیکی به این گیاهان تراریخت و همچنین گیاهان غیر تراریخت به عنوان کنترل که در موازات تراریخت‌ها کشت شده بودند، تلقیح شد. تلقیح به روش مکانیکی روی دو برگ میانی گیاهان انجام شد. بعد از گذشت دو هفته برگ‌های بالایی گیاهان برای عصاره گیری تست ELISA و استخراج RNA استفاده شد. نتایج ELISA با آنتی بادی اختصاصی کت پروتئین PVX نشان داد که از سه لاین انتخاب شده تراریخت، دو لاین مقاومت به PVX را دریافت کرده‌اند (شکل ۶- الف).

تایید مقاومت گیاهان تراریخت به ویروس PVX با RT-

PCR: RNA استخراج شده از گیاهان دو لاین تراریخت و همچنین گیاهان غیر تراریخت پس از تیمار با DNase و اطمینان از عدم وجود آلودگی DNA با PCR کنترل، برای سنتز cDNA استفاده شد. برای اطمینان از کیفیت RNA استخراج شده و درستی سنتز cDNA ابتدا یک واکنش PCR با آغازگرهای 18SrRNA مربوط به توتون انجام شد (شکل ۶- ب پایین) و

مهمترین آرگونات در مسیر RNA Silencing در گیاه آراییدوپسیس است که بدون وجود آن حیات گیاه به مخاطره می-افتد (Chiu et al., 2010).

تحقیقاتی Baulcombe، تاثیر P25 بر AGO1 در گیاه آراییدوپسیس بررسی شده و نشان دادند که P25 و AGO1 دارای میانکشی مولکولی قوی بوده و میزان AGO1 در حضور P25 کاهش می‌یابد که وابسته به فعالیت پروتئازوم است. AGO1



شکل ۶- بررسی و تایید مقاومت گیاهان تراریخت سیب زمینی به PVX: الف) نتیجه تست ELISA با آنتی پروتئین پوششی ویروس PVX. هر ستون نمایشگر میانگین سه چاهک تکرار برای هر گیاه است. C+ و C- به ترتیب کنترل منفی فاقد عصاره گیاهی و کنترل مثبت می‌باشند. حد آلودگی در این تست ۰/۱۳۵ بود. هر دوازده گیاه تلقیح شده و تست شده لاین یک و دو گیاهان تراریخت به ویروس مقاومت نشان دادند اما لاین سوم مثل گیاهان غیرتراریخت به ویروس آلوده شد. ب) نتیجه الکتروفورز محصول RT-PCR روی دو لاین تراریخت که در تست ELISA مقاومت نشان دادند. پایین با آغازگرهای اختصاصی 18S rRNA مربوط به توتون به اندازه تقریباً ۱۰۰۰ bp برای اطمینان از درستی cDNA ها. بالا با آغازگرهای اختصاصی ژن پروتئین پوششی ویروس PVX به اندازه ۷۱۴ bp. M مارکر اندازه DNA، ۱ تا ۱۰ مربوط به ده گیاه لاین اول و ۱۱ تا ۱۴ مربوط به چهار گیاه لاین دوم تراریخت، ۱۵ تا ۲۰ مربوط به شش گیاه غیرتراریخت سیب‌زمینی، C+ کنترل مثبت روی DNA وکتور pPVX و C- کنترل منفی فاقد cDNA.

Fig6. Resistance assay of potato transgenic plants to PVX by ELISA and RT-PCR.

گیاهان هدف گزارش کردند (Ai et al., 2011). در تحقیقی دیگر با استفاده از قطعاتی از ویروس تریستزای مرکبات در گیاه توتون مقاومت به این ویروس بر مبنای RNA Silencing ایجاد شد (Roy et al., 2006). به کمک همین فرایند گیاه مقاوم سیب زمینی شیرین در مقابل ویروسهای SPFMV، SPCSV، SPVG و SPMV ایجاد شده است (Sivparsad & Gubba, 2014).

روش ایجاد مقاومت در این تحقیق مبتنی بر ساختن سازه سنجا ق سری قطعه ای به طول ۴۰۰ باز از ژن P25 ویروس PVX بود. هرچه طول این قطعه بیشتر باشد امکان خاموش کردن ژن افزایش می یابد اما امکان غیر اختصاصی عمل کردن و هدف قراردادن ژنهای دیگر در گیاه نیز بیشتر می شود. در این خصوص از قطعه ای از P25 استفاده شد (Gene Bank: GQ863228.1) که هیچ شباهتی در ژنوم سیب زمینی و گیاهان دیگر نداشته باشد و بدین منظور هنگام انتخاب قطعه از طریق Blast در بانک های اطلاعاتی بررسی عمیق گردید. با توجه به اطلاعات موجود و طبیعی بودن مرفولوژی و فیزیولوژی گیاهان تراریخت حاصل، به نظر نمی رسد که ژنی از میزبان با این سازه سنجا ق سری مورد هدف قرار گرفته باشد. بررسی های بیشتر مرفولوژیکی روی گیاهان تراریخت در گلخانه و مزرعه لازم است تا گیاهان مقاوم حاصل هم از لحاظ ریخت شناسی و هم میزان تولید محصول تایید شوند. در این مطالعه گیاهان تراریخت به صورت مکانیکی با ویروس PVX تلقیح شده و بعد از تکثیر و گسترش ویروس داخل گیاهان آزمایشات ELISA و RT-PCR روی آنها انجام شد که نتایج همدیگر را ثابت نمودند. نتایج PCR روی cDNA سنتز شده از RNA استخراج شده از گیاهان، نشان می دهد که احتمالاً قطعه ژن P25 در گیاهان تراریخت به صورت hairpin بیان شده و با RNA Silencing مانع از همانند سازی و تکثیر ویروس در این گیاهان شد. بررسی siRNA ها با نورترن بلات این احتمال را می تواند ثابت نماید. عدم وجود باند مربوط به ژن پروتئین پوششی ویروس در گیاهان تراریخت شاید این احتمال را بوجود آورد که سنتز cDNA و استخراج RNA در آنها به خوبی انجام نشده است اما انجام PCR برای یک ژن خانه دار در این نمونه ها و مشاهده باند مربوطه این احتمال را خنثی می کند. سنتز cDNA روی RNA گیاهان در این تحقیق دو بار انجام گرفت و نتایج

بیشتر کارهای مهندسی ژنتیک برای ایجاد مقاومت به ویروس های گیاهی که بر اساس پاتوژن طراحی شده بود و مقاومت های کم و بیشی ایجاد کرده بود با کشف مکانیسم RNA Silencing از سال ۲۰۰۰ میلادی جهت دهی دقیق شد. تمام تلاش های انجام یافته تا آن زمان برای ساخت گیاهان تراریخته مقاوم به ویروس، بخاطر متوقف شدن RNA silencing توسط پروتئین های ویروسی ممانعت کننده از RNA Silencing میزبان، بی ثمر بوده و انتظار مقاومت کامل در این گیاهان بیهوده است. چون با حمله ویروس سیستم دفاعی القا شده در گیاه، دیگر قادر به حفظ گیاه از آثار مخرب ویروس نیست. اما هدف قراردادن پروتئین های ویروسی ممانعت کننده از RNA Silencing در ایجاد مقاومت می تواند موثرتر باشد. مهمترین برتری و تفاوت این تحقیق با کارهای مشابه قبلی هدف قراردادن و متوقف کردن بیان پروتئین P25 ویروس PVX در گیاه است. سازه سنجا ق سری ایجاد شده در گیاه برای P25، میزبان را به تولید دائمی siRNA های P25 وادار می کند تا به محض حمله ویروس RNA های آن را از محل P25 مورد حمله قرار دهد. با این روش، دیگر ویروس قادر به خاموش کردن و از کار انداختن سیستم RNA Silencing در میزبان نخواهد بود و توسط همین مکانیسم از بین خواهد رفت. در تحقیقی مشابه P25 ویروس PVX در توتون بیان شد و مقاومت خوبی به TMV، PVX و سایر توپامو ویروسها ایجاد کرد. در گیاهان توتون تراریخت دو ویروس مذکور هیچ علایمی نشان نداده و نتوانستند تکثیر شوند (Ares et al., 1998).

برای خاموش کردن یک ژن در گیاه می توان از دو ابزار استفاده کرد که یکی قرار دادن بخشی از آن بصورت تکرار معکوس در سازه سنجا ق سری است و دیگری هدف قرار دادن آن با یک microRNA مصنوعی و استفاده از سازه های آماده تولید کننده microRNA است. به عنوان مثال گزارش شده که با استفاده از miR159a، miR171a و miR167b از گیاه *Arabidopsis thaliana* و نوع miRNA توانستند توالی های mRNA ژن P25 ویروس PVX و ژن HCPro ویروس PVY را در گیاهان توتون تراریخت آلوده به این دو ویروس مورد هدف قرار دهند و بدین ترتیب مقاومت بسیار بالایی در برابر این دو ویروس در

تولید سازه سنجاق‌سری مربوطه، مقاومت بصورت دائمی در گیاه و در تمامی بافتهای آن ایجاد می‌شود.

تشکر و قدردانی

با تشکر از حمایت مالی دانشگاه شهید مدنی آذربایجان و همکاری مرکز توالی یابی انستیتو IBMP استراسبورگ فرانسه جهت توالی‌یابی وکتورهای نوترکیب. این مقاله نتیجه تحقیقات دو پایان نامه کارشناسی ارشد بیوتکنولوژی و بیماری شناسی گیاهی در دانشکده کشاورزی دانشگاه شهید مدنی آذربایجان می‌باشد.

منابع

- Ai, T., Zhang, L., Gao, Z., Zhu, C.X. & Guo X. (2011). Highly efficient virus resistance mediated by artificial microRNAs that target the suppressor of PVX and PVY in plants. *Plant Biology*, 13,304-16.
- Ares, X., Calamante, G., Cabral, S., Lodge, J., Hemenway, P., Beachy, R. N. & Mentaberry, A. (1998). Transgenic Plants Expressing Potato Virus X ORF2 Protein (P24) Are Resistant to Tobacco Mosaic Virus and other Tobamoviruses. *Journal of Virology*, 72,731-738.
- Bai, Y., Guo, Z., Wang, X., Bai, D. & Zhang, W. (2009). Generation of double-virus-resistant marker-free transgenic potato plants. *Progress in Natural Science*, 19,543-548.
- Beemster, A.B.R. & de Bokx, J. A. (1987). Survey of properties and symptoms. In: de Bokx, J.A. and van der Want, J.P.H. (eds) *Viruses of Potato and Seed Potato Production*. eds Pudoc. Wageningen, Netherlands.
- Chiu, M.H., Chen, I.H., Baulcombe, D.C. & Tsai, C.H. (2010). The silencing suppressor P25 of Potato virus X interacts with Argonaute1 and mediates its degradation through the proteasome pathway. *Molecular Plant Pathology*, 11,641-9.
- Chomczynski, P. & Sacchi, N. (1987). Single-step method of RNA isolation by acid guanidinium thiocyanate-phenol-chloroform extraction. *Analytical Biochemistry*, 162,156-9.
- Doyle, J.J. & Doyle, J.L. (1987). A rapid DNA isolation procedure for small quantities of fresh leaf tissue. *Phytochemistry Bulletin*, 19,11-15.
- Duan CG, Wang CH, & Guo HS. 2012. Application of RNA silencing to plant disease resistance. *Silence*. 3:5. doi:10.1186/1758-907X-3-5
- Forootani, S., Jafarpour, B., Falahati Rastegar, M., & Beigzadeh, N. (2004). Identification of races 1 and 3 of PVX in Khorasan and Ardebil Provinces. *Proceedings of the 16th. Iranian Plant Protection Congress*, Vol. II. Plant Diseases. Tabriz University, Tabriz, Iran. p222 (in Farsi).
- Kohm, B.A., Goulden, M.G., Gilbert, J.E., Kavanagh, T.A. & Baulcombe, D.C. (1993). A Potato Virus X Resistance Gene Mediates an Induced, Nonspecific Resistance in Protoplasts. *Plant Cell*, 5,913-920.
- Longstaff. M., Brigneti, G., Boccard, F., Chapman, S. & Baulcombe, D. (1993). Extreme resistance to potato virus X infection in plants expressing a modified component of the putative viral replicase. *EMBO Journal*, 12,379-86.
- Moissiard, G. & Voinnet, O. (2004). Viral suppression of RNA silencing in plants. *Mol Plant Pathology*, 5, 71-82.
- Murashige, T. & Skoog, F. (1962). A revised medium for rapid growth and bioassays with tobacco tissue cultures. *Physiologia Plantarum*, 15,473-497.
- Pazhouhandeh, M. (2009). *Virus and RNA Silencing*. Lambert Academic Publishing (LAP), Germany.
- Pazhouhandeh, M., Dieterle, M., Marrocco, K., Lechner, E., Berry, B., Brault, V., Hemmer, O., Kretsch, T., Richards, K.E., Genschik, P. & Ziegler-Graff, V. (2006). F-box-like domain in the Polerovirus protein P0 is required for silencing suppressor function. *PNAS*, 103,1994-1999.

- Roy, G., Sudarshana, M.R., Ullman, D.E., Ding, S.W., Dandekar, A.M. & Falk, B.W. (2006). Chimeric cDNA Sequences from Citrus tristeza virus Confer RNA Silencing-Mediated Resistance in Transgenic *Nicotiana benthamiana* Plants. *Phytopathology*, 96, 819-27.
- Salazar, L.F. (1996). Potato Viruses and Their Control. International Potato Center. Peru. 214 pp.
- Sambrook, J., Fritsch, E.F., Maniatis, T. (1989). Molecular cloning; a laboratory manual, 2nd ed., Cold Spring Harbor Laboratory Press, Cold Spring Harbor.
- Sivparsad, B.J. & Gubba, A. (2014). Development of transgenic sweet potato with multiple virus resistance in South Africa (SA). *Transgenic Research*, 23, 377-88.
- Verchot-Lubicz, J., Ye, C.M. & Bamunusinghe, D. (2007). Molecular biology of Potexviruses: recent advances. *Journal of General Virology*, 88, 1643-55.
- Voinnet, O. (2001). RNA silencing as a plant immune system against viruses. *Trends in Genetics*, 17, 449-459.

Production of Potato Resistant Plant to PVX using an RNA Silencing Mechanism

ShahlaSadat Fateri Rezvani, Maghsoud Pazhouhandeh*, Akbar Shirzad, and Sakineh Lotfi

Department of Biotechnology, Agriculture Faculty, Azarbaijan Shahid Madani University, Km 35 Tabriz-Azarshahr Road, Iran.

* Corresponding Author, Email: pazhouhandeh@azaruniv.edu , pazhouhandeh@gmail.com

ABSTRACT

Viruses are the main causes of potato yield loss. Potato X Potexvirus (PVX) is one of the most important potato viruses and the use of resistant varieties is the principal way to control it. In this study, we tried to produce potato plants resistant to this virus using an RNA silencing technique. To this end, a hairpin construct of P25 of PVX was made in pFGC5941 under control of the CaMV 35S promoter with two consecutive cloning steps. The P25 protein is a suppressor of RNA Silencing in viral host plants. The recombinant vector was transferred into *Agrobacterium tumefaciens* LBA4404 strain. Leaf and internode pieces of potato (Agria variety) were transformed by *Agrobacterium*. Following induction of callus, shoot and root, regenerated transgenic plants were selected and micro-propagated. Molecular analysis by PCR on DNA of plants and by RT-PCR on their RNA confirmed the presence and the expression of the transgene. Transgenic plants were propagated and then inoculated mechanically by PVX in the greenhouse. ELISA results using PVX-coat protein antibody showed resistance of two transgenic lines to PVX. Molecular confirmation of these potato lines was performed using PVX coat protein primers by RT-PCR on plant RNAs. The results of this research have led to the production of two independent lines of potato that are resistant to PVX and future work will involve analysis of resistance in field conditions and the production of their mini-tuber.

Key Words

Potato, PVX, Resistance, Transgenic Plant, RNA Silencing